



2023 春季产品选购册

高通量测序文库构建试剂
2023.3.1-2023.6.30

诺唯赞 · 科技成就健康生活
Science and Technology Make a Healthier Life



南京诺唯赞生物科技股份有限公司（股票代码 688105）——围绕酶、抗原、抗体等功
能性蛋白及高分子有机材料进行技术研发和产品开发。依托于自主建立的关键共性技术
平台，先后进入了生物科研、体外诊断、生物医药等业务领域，是国内少数同时具有自
主可控上游技术开发能力和终端产品生产能力的研发创新型企业，致力于智造“生物芯
片”，持续为生物科技行业发展注入新活力。



InnoVation in Enzyme Technology

公司概况

创新研发能力及人才储备

诺唯赞始终秉承创新，致力突破，坚持从技术源头开始研发，依托自主核心技术，搭建自主可控的关键共性技术平台，可快速、高效、规模化地进行产品开发，现有 200 余种基因工程重组酶和 1,000 余种高性能抗原和单克隆抗体等关键原料，拥有 500 多个终端产品，可广泛应用于科学研究、高通量测序、体外诊断、医药及疫苗研发和动物检疫等领域。

强劲的研发实力是人才团队支撑。诺唯赞拥有着一支 700 余人的研发创新团队，由分子生物学、酶学、免疫学、生物信息学、有机化学和材料学等多领域复合型研发人员组成，其中 46% 以上的研发人员拥有硕士及以上学历。



南京诺唯赞生物科技股份有限公司
Nanjing Vazyme Biotech Co., Ltd.

Experts for Experts

掌握原料核心技术 集聚下游产业优势

诺唯赞自成立以来始终坚持以研发为核心的经营理念，依托自主核心技术，不断更新迭代技术升级，开拓新的业务领域。通过多年孜孜以求，诺唯赞在生物、医疗领域均取得了技术成就。已成功推出了包含高通量测序建库系列、PCR 系列、qPCR 系列、分子克隆系列、逆转录系列、Bio-assay 等多个系列的生物试剂以及包含心脑血管、炎症感染、优生优育、胃功能等 8 个系列的 POCT 诊断试剂，并形成了覆盖科研院校、高通量测序服务企业、分子诊断试剂生产企业、制药企业、CRO 企业、医院等医疗机构等多种客户群体的客户组合。

不忘使命 践行责任

在做大做深产品及技术链的同时，诺唯赞始终恪守“科技成就健康生活”的使命，围绕着疾病的“发现—诊断—预防—治疗”不断开发新技术、提供优质产品及专业服务，为客户创造价值。

诺唯赞以奋斗者为本，为员工提供广阔的发展平台，吸引全国乃至全世界优秀的人才加入，推动中国的生物医疗技术产业的整体发展与提升。诺唯赞参与公共卫生事业建设，在非洲猪瘟、新冠病毒疫情抗击中发挥重要力量，用科技助力国家生物安全建设，帮助人类战胜重大传染病、肿瘤、自身免疫疾病！



2023 春季 NGS 产品选购手册

高通量测序文库构建试剂

目录

Contents

产品价格列表	01
明星产品	08
产品介绍	
DNA 建库系列	09
RNA 建库系列	18
单细胞系列	23
表观遗传系列	27
磁珠系列	33
定量系列	34
核酸提取与纯化	35
文献锦集	39



产品价格列表

2023 春季产品选购手册

DNA 建库系列

DNA 建库试剂盒(适用于 Illumina 平台)

	产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
HOT	转座酶建库试剂盒	TruePrep® DNA Library Prep Kit V2 for Illumina	TD501/TD502/TD503-01/02	24 rxns/96 rxns	6,200/24,000
新品		TruePrep® Flexible DNA Library Prep Kit for Illumina	TD504-01/02	24 rxns/96 rxns	7,200/26,400
HOT	常规 DNA 建库试剂盒	VAHTS® Universal DNA Library Prep Kit for Illumina V3	ND607-01/02	24 rxns/96 rxns	5,600/18,000
		VAHTS® Universal DNA Library Prep Kit for Illumina V3 (不含扩增模块)	ND607-03/04	24 rxns/96 rxns	5,400/17,000
新品	高效 DNA 建库试剂盒	VAHTS® Universal DNA Library Prep Kit for Illumina V4	ND610-01/02	24 rxns/96 rxns	6,000/24,000
新品		VAHTS® Universal DNA Library Prep Kit for Illumina V4 (不含扩增模块)	ND610-03/04	24 rxns/96 rxns	5,500/22,000
	酶切片段化法 DNA 建库试剂盒	VAHTS® Universal Plus DNA Library Prep Kit for Illumina	ND617-01/02	24 rxns/96 rxns	6,400/20,400
新品		VAHTS® Universal Plus DNA Library Prep Kit for Illumina V2	ND627-01/02	24 rxns/96 rxns	6,400/20,400
	FFPE DNA 建库试剂盒	VAHTS® Universal Pro DNA Library Prep Kit for Illumina	ND608-01/02	24 rxns/96 rxns	6,000/20,000
新品	单链 DNA 建库试剂盒	VAHTS® ssDNA Library Prep Kit for Illumina	ND620-01/02	24 rxns/96 rxns	9,600/33,600
新品	多重扩增子建库试剂盒	VAHTS® AmpSeq Library Prep Kit V2	NA201-02	96 rxns	30,000
		VAHTS® AmpSeq Library Prep Kit V3	NA210-01/02	24 rxns/96 rxns	8,600/30,000

DNA 建库试剂盒 (适用于 Ion Torrent 平台)

	产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
新品	快速 DNA 建库试剂盒	VAHTS® Universal DNA Library Prep Kit for Ion Torrent V2	ND702-01/02	24 rxns/96 rxns	5,600/18,000
新品	多重扩增子建库试剂盒	VAHTS® AmpSeq Library Prep Kit V2	NA201-02	96 rxns	30,000
		VAHTS® AmpSeq Library Prep Kit V3	NA210-01/02	24 rxns/96 rxns	8,600/30,000

DNA 建库试剂盒 (适用于 MGI 平台) 新品

产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
转座酶建库试剂盒	TruePrep® DNA Library Prep Kit for MGI	TDM501/TDM502/TDM503-01/02	24 rxns/96 rxns	6,200/24,000
	TruePrep® Flexible DNA Library Prep Kit for MGI	TDM504-01/02	24 rxns/96 rxns	7,200/26,400
常规 DNA 建库试剂盒	VAHTS® Universal DNA Library Prep Kit for MGI	NDM607-01/02	24 rxns/96 rxns	5,600/18,000
酶切片段化法 DNA 建库试剂盒	VAHTS® Universal Plus DNA Library Prep Kit for MGI	NDM617-01/02	24 rxns/96 rxns	6,400/20,400
	VAHTS® Universal Plus DNA Library Prep Kit for MGI V2	NDM627-01/02	24 rxns/96 rxns	6,400/20,400
FFPE DNA 建库试剂盒	VAHTS® Universal Pro DNA Library Prep Kit for MGI	NDM608-01/02	24 rxns/96 rxns	6,000/20,000

DNA 建库模块

	产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
	华大平台环化模块	VAHTS® Circularization Kit for MGI	NM201-01/02	16 rxns/48 rxns	3,600/10,800
新品	华大平台文库扩增模块	VAHTS® HiFi Amplification Mix for MGI	NM616-01/02	24 rxns/96 rxns	600/1,800
		VAHTS® HiFi Universal Amplification Mix for MGI (SI)	NM618-01/02	24 rxns/96 rxns	600/1,800
	转座酶建库扩增模块	TruePrep® Amplify Enzyme	TD601-01	96 rxns	1,000
	末端修复模块	VAHTS® Universal End preparation Module for Illumina V2	N203-01/02	24 rxns/96 rxns	2,100/6,900
	接头连接模块	VAHTS® Universal Adapter Ligation Module for Illumina V2	N204-01/02	24 rxns/96 rxns	3,400/11,000
	FFPE 样本修复模块	VAHTS® DNA Damage Repair Kit	N208-01/02	24 rxns/96 rxns	1,440/4,800
新品	酶切片段化模块	VAHTS® Universal Plus Fragmentation,End Preparation & dA-Tailing Module for Illumina	N209-01/02	24 rxns/96 rxns	2,400/8,150
		VAHTS® Universal Plus Fragmentation, End Preparation & dA-Tailing Module for Illumina V2	N219-01/02	24 rxns/96 rxns	2,400/8,150
新品	Illumina 平台文库扩增模块	VAHTS® HiFi Amplification Mix	N616-01/02	24 rxns/96 rxns	600/1,800
		VAHTS® HiFi Universal Amplification Mix for Illumina	N618-01/02	24 rxns/96 rxns	600/1,800
新品	多重扩增模块	VAHTS® AmpSeq Multi-PCR Module V2	NA205-02	96 rxns	5,000
		VAHTS® AmpSeq Multi-PCR Module V3	NA215-01/02	24 rxns/96 rxns	1,250/5,000

DNA 建库单酶

产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
T4 DNA 聚合酶	T4 DNA Polymerase	N101-01	2,000 U	1,100
T4 多聚核苷酸激酶	T4 Polynucleotide Kinase	N102-01	10,000 U	1,100
T4 快速连接酶	T4 DNA Ligase (Rapid)	N103-01	600,000 U	4,000
Klenow DNA 聚合酶	DNA polymerase I Klenow Fragment	N104-01	5,000 U	2,200
	DNA polymerase I Klenow Fragment exo ⁻	N105-01	5,000 U	2,200
Phi29 DNA 聚合酶	Phi29 MAX DNA Polymerase	N106-01/02	250 U/1,250 U	300/1,300
高效整合 dUTP 的高保真聚合酶	Phanta® Uc Super-Fidelity DNA Polymerase for Library Amplification	P507-01/02	100 U/500 U	400/2,000

DNA 建库接头

	产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
新品	Illumina 平台建库配套接头	VAHTS® DNA Adapters Set 1-Set 2 for Illumina	N801/N802-01/02	10 µl each/40 µl each	1,200/4,600
		VAHTS® DNA Adapters Set 3-Set 6 for Illumina	N805/N806/N807/N808	20 µl each	4,600 each
		VAHTS® Multiplex Oligos Set 4/Set 5 for Illumina	N321/N322	192 rxns each	11,520 each
		VAHTS® Dual UMI UDI Adapters Set 1 - Set 4 for Illumina	N351/N352/N353/N354	96 rxns each	7,200 each
		VAHTS® Maxi Unique Dual Index DNA Adapters Set 1-Set4 for Illumina	N34201/N34202/N34203/N34204	384 rxns each	15,360 each
		TruePrep® Index Kit V4 for Illumina	TD204/TD205/TD206/TD207	192 rxns each	1,400 each
		TruePrep® Index Kit V2/V3 for Illumina	TD202/TD203	192 rxns/768 rxns	1,400/5,600
		VAHTS® AmpSeq Adapters for Illumina	NA111-01/02 NA111-03/04/05	12 × 10 rxns each 24 × 10 rxns each	4,200 each 8,400 each
	Ion Torrent 平台建库配套接头	VAHTS® AmpSeq Adapters for Ion Torrent	NA121-01/02	12 × 10 rxns each	4,200 each
			NA121-03/04/05	24 × 10 rxns each	8,400 each
	MGI 平台建库配套接头	VAHTS® DNA Adapters Set 8 for MGI	NM108-01/02	10 µl each/40 µl each	9,600/38,400
		VAHTS® PCR-Free DNA Adapters for MGI	NM10901/NM10902/NM10903/NM10904	20 µl each	4,800 each
		VAHTS® Dual UMI UDB Adapters Set 1-Set 8 for MGI	NM35101-NM35108	96 rxns each	7,200 each
		TruePrep® Index Kit for MGI	TDM101/TDM102/TDM103/TDM104-01	192 rxns each	1,400 each
		TruePrep® Dual Index Kit V1 for MGI	TDM201-01	192 rxns each	1,400 each

RNA 建库系列

RNA 建库试剂盒(适用于 Illumina 平台)

新品

产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
转座酶法超快速转录组文库制备试剂盒	TruePrep® RNA Library Prep Kit for Illumina	TR501/TR502 /TR503-01/02	24 rxns/96 rxns	11,800/38,000
快速转录组建库试剂盒	VAHTS® Universal V6 RNA-seq Library Prep Kit for Illumina	NR604-01/02	24 rxns/96 rxns	11,800/38,000
	VAHTS® Universal V8 RNA-seq Library Prep Kit for Illumina	NR605-01/02	24 rxns/96 rxns	11,800/38,000
Small RNA 建库试剂盒	VAHTS® Small RNA Library Prep Kit for Illumina	NR801-01/02	24 rxns/96 rxns	11,500/39,200
RNA 多重 PCR 建库试剂盒	VAHTS® RNA Multi-PCR Library Prep Kit	NA211-01/02	24 rxns/96 rxns	14,000/48,000

RNA 建库试剂盒 (适用于 MGI 平台) 新品

产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
快速转录组建库试剂盒	VAHTS® Universal V6 RNA-seq Library Prep Kit for MGI	NRM604-01/02	24 rxns/96 rxns	11,800/38,000
	VAHTS® Universal V8 RNA-seq Library Prep Kit for MGI	NRM605-01/02	24 rxns/96 rxns	11,800/38,000

RNA 建库模块

新品

HOT

新品

产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
mRNA 富集磁珠	VAHTS® mRNA Capture Beads	N401-01/02	24 rxns/96 rxns	600/2,300
	VAHTS® mRNA Capture Beads 2.0	N403-01/02	24 rxns/96 rxns	600/2,300
RNA 打断 Buffer	VAHTS® 2 × Frag/Prime Buffer	N402-01	936 µl	800
去除 rRNA 试剂盒	Ribo-off® rRNA Depletion Kit (Human/Mouse/Rat)	N406-01/02	24 rxns/96 rxns	11,700/38,000
	Ribo-off® rRNA Depletion Kit (Bacteria)	N407-01/02	12 rxns/24 rxns	9,500/17,300
	Ribo-off® rRNA Depletion Kit V2 (Bacteria)	N417-01/02	12 rxns/24 rxns	9,500/17,300
	Ribo-off® rRNA Depletion Kit (Plant)	N409-01/02	12 rxns/24 rxns	10,800/19,680
	Ribo-off® Globin & rRNA Depletion Kit(Human/Mouse/Rat)	N408-01/02	24 rxns/96 rxns	12,240/39,600
去除 rRNA 试剂盒	Ribo-MagOff rRNA Depletion Kit (Human/Mouse/Rat)	N420-01/02	12 rxns/24 rxns	6,000/11,700

RNA 建库接头

产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
Illumina 平台建库配套接头	VAHTS® RNA Adapters Set 1-Set 2 for Illumina	N803/N804-01/02	10 µl each/40 µl each	400/1,600
	VAHTS® RNA Adapters Set 3-Set 6 for Illumina	N809/N810/N811/N812	20 µl each	1,600 each
	VAHTS® RNA Multiplex Oligos Set 1-Set 2 for Illumina	N323/N324	192 rxns each	7,680 each
	VAHTS® Small RNA Index Primer Kit for Illumina	N813/N814/N815/N816	48 rxns each	960 each
	TruePrep® Index Kit V4 for Illumina	TD204/TD205/TD206/TD207	192 rxns each	1,400 each
	TruePrep® Index Kit V2/V3 for Illumina	TD202/TD203	192 rxns/768 rxns	1,400/5,600
MGI 平台建库配套接头	VAHTS® RNA Adapters Set 8 for MGI	NM208-01/02	10 µl each/40 µl each	3,200/12,800

DNA&RNA 共建库系列

DNA&RNA 共建库试剂盒

新品

新品

产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
DNA&RNA 共建库试剂盒 (适用于 Illumina 平台)	VAHTS® DNA&RNA Library Prep Kit for Illumina	NC601-01/02	24 rxns/96 rxns	8,200/32,000
DNA&RNA 共建库试剂盒 (适用于 MGI 平台)	VAHTS® DNA&RNA Library Prep Kit for MGI	NCM601-01/02	24 rxns/96 rxns	8,200/32,000

单细胞系列

单细胞基因组扩增

产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
单细胞基因组扩增	Discover-sc® Single Cell WGA Kit	N603-01/02	24 rxns/96 rxns	5,000/17,000

单细胞转录组扩增

产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
单细胞转录组扩增	Discover-sc® WTA Kit V2	N711-01/02/03	12 rxns/24 rxns/96 rxns	15,000/27,000/72,000
	Single Cell Full Length mRNA-Amplification Kit	N712-01/02/03	12 rxns/24 rxns/96 rxns	5,000/9,000/24,000

表观遗传系列

甲基化

新品

产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
甲基化转化试剂盒	EpiArt® DNA Methylation Bisulfite Kit	EM101-01/02	50 rxns/200 rxns	1,250/4,500
甲基化转化后扩增	2 × EpiArt® HS Taq Master Mix	EM201-01/02/03	1 ml/5×1ml/15×1ml	400/1,800/4,800
	2 × EpiArt® HS Taq Master Mix (Dye Plus)	EM202-01/02/03	1 ml/5×1ml/15×1ml	400/1,800/4,800
甲基化建库试剂盒	EpiArt® DNA Methylation Library Kit for Illumina V3	NE103-01/02	24 rxns/96 rxns	13,200/46,000

核酸蛋白互作

HOT

新品

产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
CUT&Tag 单酶	Hyperactive® pG-Tn5 Transposase for CUT&Tag	S602-01/02	10 µg/20 µg	6,800/12,800
	Hyperactive® pA-Tn5 Transposase for CUT&Tag	S603-01/02	10 µg/20 µg	6,800/12,800
CUT&Tag 试剂盒	Hyperactive® In-Situ ChIP Library Prep Kit for Illumina	TD901-01/02	12 rxns/48 rxns	8,000/30,000
	Hyperactive® Universal CUT&Tag Assay Kit for Illumina	TD903-01/02	12 rxns/48 rxns	8,000/30,000
CUT&RUN 单酶	Hyperactive® pA-MNase for CUT&RUN	S701-01	200 U	5,000
	Hyperactive® pG-MNase for CUT&RUN	S702-01	200 U	5,000

染色质开放性

HOT

产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
染色质开放性	TruePrep® DNA Library Prep Kit V2 for Illumina	TD501/TD502/ TD503-01/02	24 rxns/96 rxns	6,200/24,000

磁珠系列

■ 纯化磁珠

	产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
HOT	DNA 纯化与分选磁珠	VAHTS® DNA Clean Beads	N411-01/02/03	5 ml/60 ml/450 ml	1,000/6,400/26,500
	RNA 纯化磁珠	VAHTS® RNA Clean Beads	N412-01/02/03	5 ml/40 ml/450 ml	1,200/4,600/42,800

■ 链霉亲和素磁珠

	产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
新品	链霉亲和素磁珠	VAHTS® CA-28 Streptavidin Beads	N512-01/02	2.5 ml/10 ml	4,500/16,000

■ 磁力架

	产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
	磁力架	0.2 ml 磁力架	CM101	32 孔 (200 µl/ 孔)	1,500
		1.5 ml 磁力架	CM103	24 孔 (1.5 ml/ 孔)	1,500

定量系列

■ qPCR 文库定量

	产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
	文库绝对定量试剂盒	VAHTS® Library Quantification Kit for Illumina	NQ101/NQ102/ NQ103/NQ104	500 rxns	1,600
	文库定量标准品	DNA Standard 1-6	NQ105	6 × 96µl	2,200
	文库稀释液	Library Dilution Buffer	NQ106	50 ml	500

■ Qubit 定量

	产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
HOT	dsDNA 高敏检测试剂盒	Equalbit® dsDNA HS Assay Kit	EQ111-01/02	100 assays/500 assays	900/2,800
		Equalbit® 1 × dsDNA HS Assay Kit	EQ121-01/02	100 assays/500 assays	848/2,578
	RNA 高敏检测试剂盒	Equalbit® RNA HS Assay Kit	EQ211-01/02	100 assays/500 assays	1,000/3,000
	RNA 宽广范围检测试剂盒	Equalbit® RNA BR Assay Kit	EQ212-01/02	100 assays/500 assays	1,150/3,450

捕获系列

■ 捕获探针

产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
人全外显子捕获探针	VAHTS® Target Capture Core Exome Panel	NC001-01/02	24 rxns/96 rxns	12,000/48,000

■ 捕获 Blocker& 扩增引物

产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
Illumina 平台普通 DNA 文库通用型接头封阻序列及扩增引物	VAHTS® Target Capture Universal Blockers and Post-PCR Primer Mix for Illumina-TS	NC101-01/02	24 rxns/96 rxns	5,760/23,000
MGI 平台单端 Barcode 文库通用型接头封阻序列及扩增引物	VAHTS® Target Capture Universal Blockers and Post-PCR Primer Mix for MGI-SI	NCM101-01/02	24 rxns/96 rxns	5,760/23,000
MGI 平台双端 Barcode 文库通用型接头封阻序列及扩增引物	VAHTS® Target Capture Universal Blockers and Post-PCR Primer Mix for MGI-DI	NCM102-01/02	24 rxns/96 rxns	5,760/23,000

■ 捕获杂交和清洗试剂盒

	产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
新品	杂交及清洗试剂盒	VAHTS® Target Capture Hybridization and Wash Kit	NC103-01/02	24 rxns/96 rxns	4,800/18,000

核酸提取与纯化

■ 柱式提取

产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
微生物 DNA 提取	FastPure® Host Removal and Microbiome DNA Isolation Kit (去宿主)	DC501-01	50 rxns	3,000
	FastPure® Microbiome DNA Isolation Kit (不去宿主)	DC502-01	50 rxns	1,500

■ 磁珠法提取

	产品应用	产品名称	产品货号	规格	目录价 (元)
	游离 DNA 提取	VAHTS® Serum/Plasma Circulating DNA Kit	N902-01/02	50 rxns/200 rxns	1,500/5,400
HOT	微生物 DNA/RNA 提取	VAMNE Magnetic Pathogen DNA/RNA Kit	RM601-01	50 rxns	2,500
新品	微生物 DNA 提取(自动化)	VAMNE Magnetic Pathogen DNA Kit (Prepackaged)	DM202-01	64 T	2,560
新品		VAMNE Magnetic Pathogen DNA Kit (KF Prepackaged)	DM203-01	96 T	3,840

● TruePrep® Flexible DNA Library Prep Kit for Illumina (Vazyme #TD504)

基于磁珠法的超快速转座酶文库构建试剂盒

宽广投入

兼容 100 pg - 500 ng 投入量

建库耗时短

快速的建库流程，仅需 1.3 h

检出灵敏度高

对低丰度样本有较高的检出率



● VAHTS® Universal Plus DNA Library Prep Kit for Illumina V2 (Vazyme #ND627)

片段化酶法 DNA 文库构建试剂盒

降低“假阳性”

SNP 和 InDel 检出的假阳性大大降低，提高突变检出精确率

文库产量高

优异的文库转化率，文库质量更高



● VAHTS® Universal V8 RNA-seq Library Prep Kit for Illumina (Vazyme #NR605)

快速转录组文库制备试剂盒

快速

简单的操作流程，使得转录组建库时间缩短至 3 h

兼容

针对低起始量以及降解样本，有更高的建库成功率

高质

优异的测序数据质量，使得转录本区域的覆盖度更加均一



● Hyperactive® Universal CUT&Tag Assay Kit for Illumina (Vazyme #TD903)

蛋白质 -DNA 互作颠覆性技术

操作简单

全流程优化，可一步实现 DNA 的片段化和接头连接，磁珠提取安全高效

样本投入量低、信噪比高

技术革新，适用微量样本，实验背景远低于 ChIP-Seq，重复性好

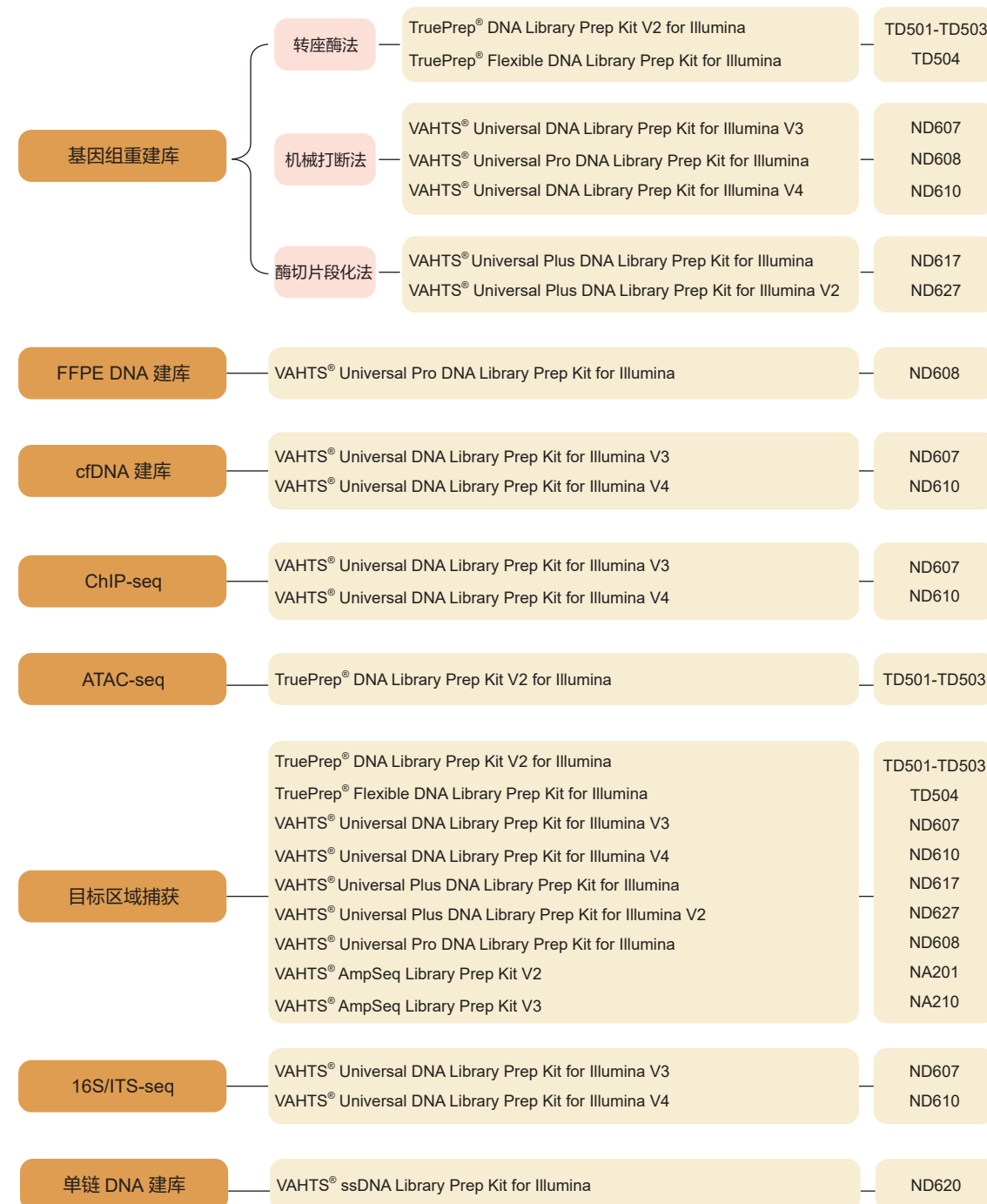
抗体兼容性好、测序质量高

转座子升级，抗体亲和力高，扩增模块优化，数据真实可靠



DNA 建库试剂盒 (适用于 Illumina 平台)

使用下面的图表，选择最适合 DNA 文库制备的产品





转座酶建库实验方案

特别推荐

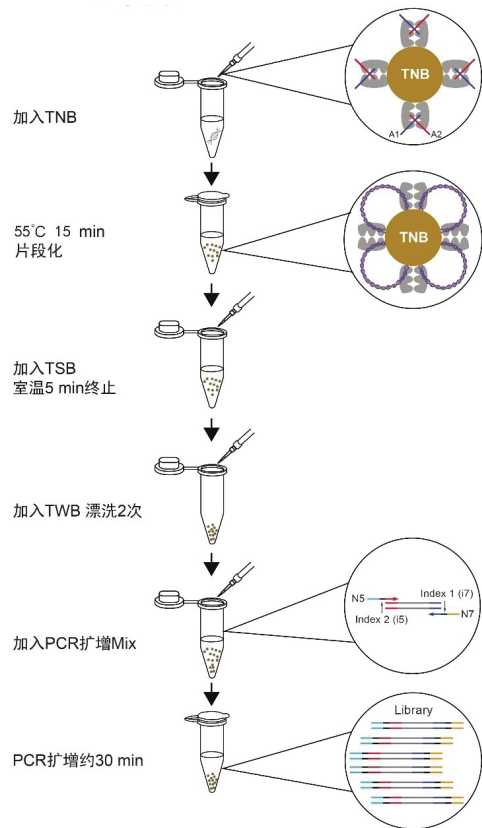
TruePrep® Flexible DNA Library Prep Kit for Illumina (TD504)

【产品特点】

宽广投入	兼容 100 pg - 500 ng 投入量
超快建库	快速的建库流程，仅需 1.3 h
检出灵敏度高	对低丰度样本有较高的检出率

【产品原理】

Transposon-linked Beads(TNB) 是转座酶偶联的磁珠，包含转座酶和两种等摩尔的接头 Adapter1 和 Adapter2。将该磁珠与 DNA 混合，55℃下孵育 15 min，即可实现 DNA 片段化和末端接头连接。获得的片段化产物经 N5(N5XX) 和 N7(N7XX) 进行 PCR 扩增，即可获得用于高通量测序的文库。



TNB, Transposon-linked Beads
TSB = Tagment Stop Buffer
TWB = Tagment Wash Buffer
N5 and N7, two index primers containing index 2 (i5) and index 1 (i7) respectively



片段化酶建库实验方案

特别推荐

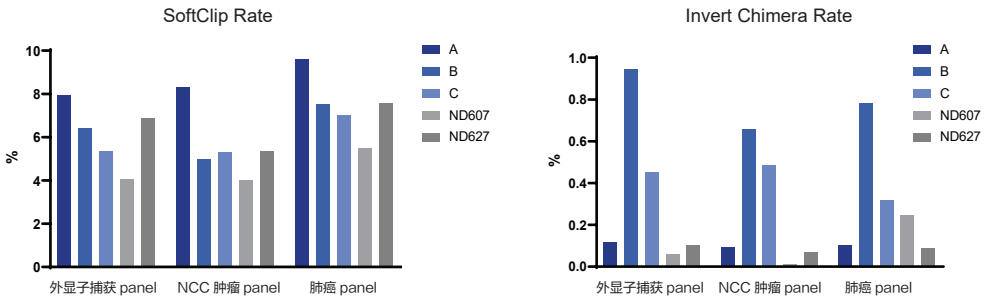
VAHTS® Universal Plus DNA Library Prep Kit for Illumina V2 (ND627)

【产品特点】

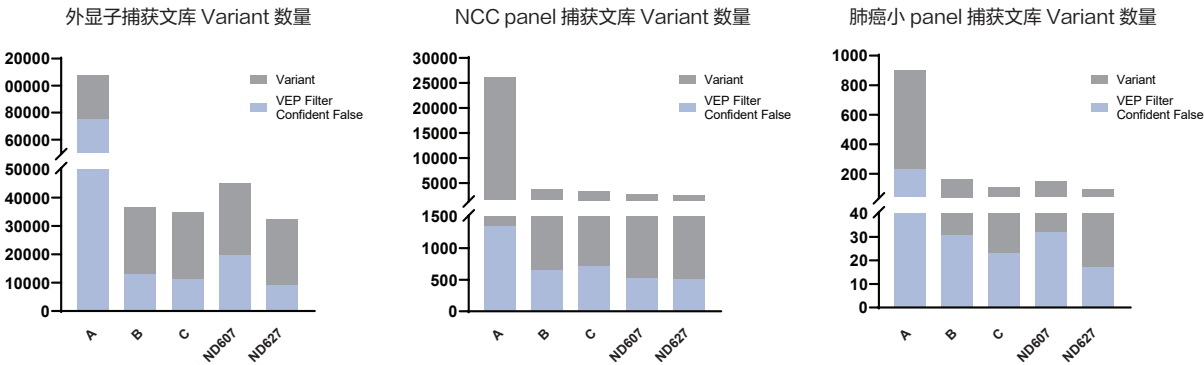
降低“假阳性”	SNP 和 InDel 检出的假阳性大大降低，提高突变检出精确率
文库产量高	优异的文库转化率，文库质量更高

【测试结果】

假阳性检出率低



使用标准品进行建库，Vazyme #ND627 在 SoftClip 检出方面，与 C 公司产品无明显差异；在 Invert Chimera 检出方面，低于其他公司同类产品。



使用标准品进行建库，Vazyme #ND627 在不影响真实 Variant 检出的同时，大大降低了假阳性 Variant 的检出。



单链 DNA 建库试剂盒

特别推荐

VAHTS® ssDNA Library Prep Kit for Illumina (ND620)

【产品特点】

快速

操作简便，单个样本建库时长仅需 2 h

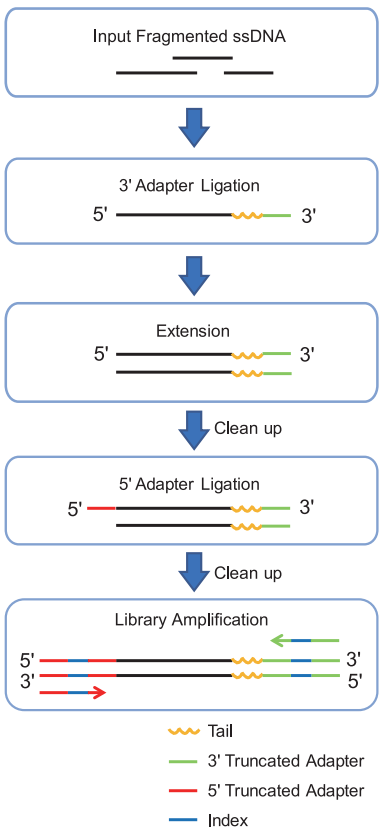
兼容

兼容单双链混合 DNA 建库，兼容短至 40 bp 的 DNA 样本

高质

不同起始量下（10 pg - 250 ng）文库均具有优异的测序数据质量

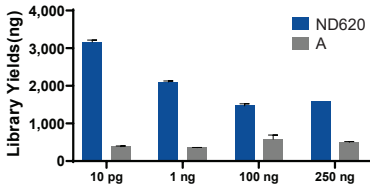
【实验原理】



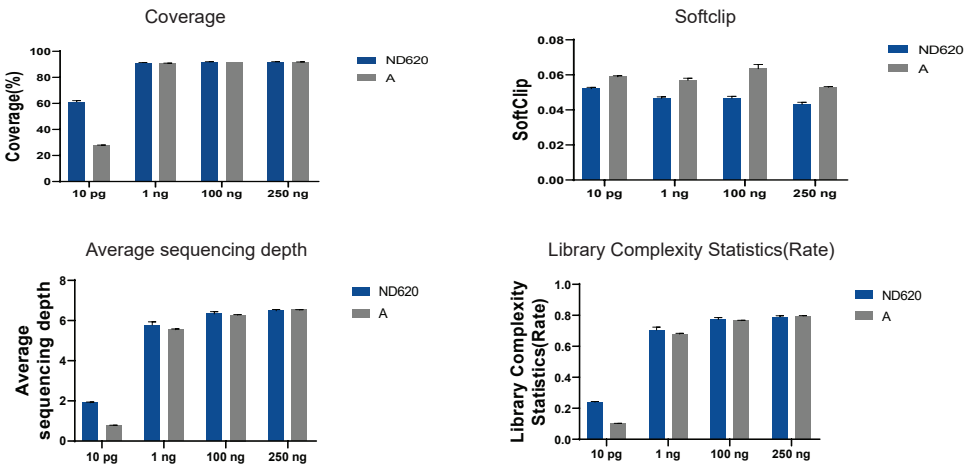
【测试结果】

1、投入量可兼容低至 10 pg

以片段化小鼠 gDNA 为起始模板，Input DNA 量分别为 10 pg，1 ng，100 ng，250 ng，参照 Vazyme # ND620 及 A 公司同类产品的标准建库流程进行文库构建，结果表明 Vazyme # ND620 均能高效建库，且与 A 公司同类产品相比，文库产量更高，峰型更好。

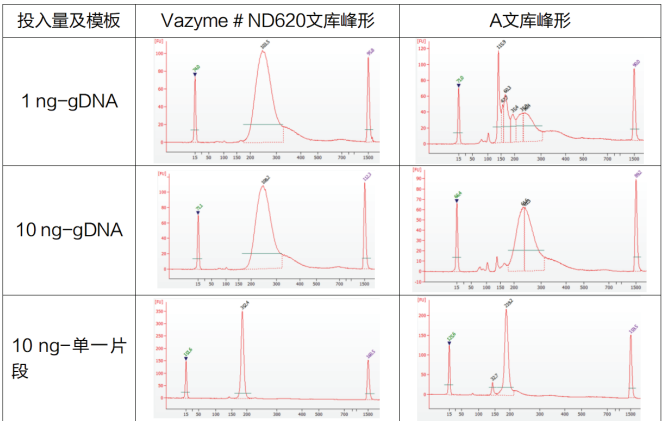
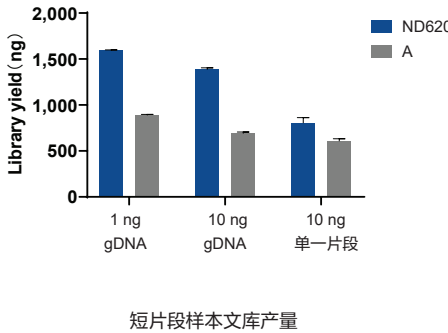


Vazyme #ND620 在测序数据质量上，与 A 公司同类产品相比，在 Coverage/Softclip/Average sequencing depth/ 文库复杂度指标上均优于 A 公司同类产品，特别是在低起始投入量下数据优势明显。



2、兼容短至 40 bp 的片段

以两种短片段模型作为模板（片段化的小鼠 gDNA 分选至主峰 90 bp，合成 40 bp 的单一片段），参照 Vazyme # ND620 及 A 公司同类产品的标准建库流程进行文库构建，结果表明 Vazyme # ND620 可兼容短至 40 bp 的模板，且与 A 公司同类产品相比，文库产量更高，峰型更好。





DNA 建库试剂盒 (适用于 MGI 平台)

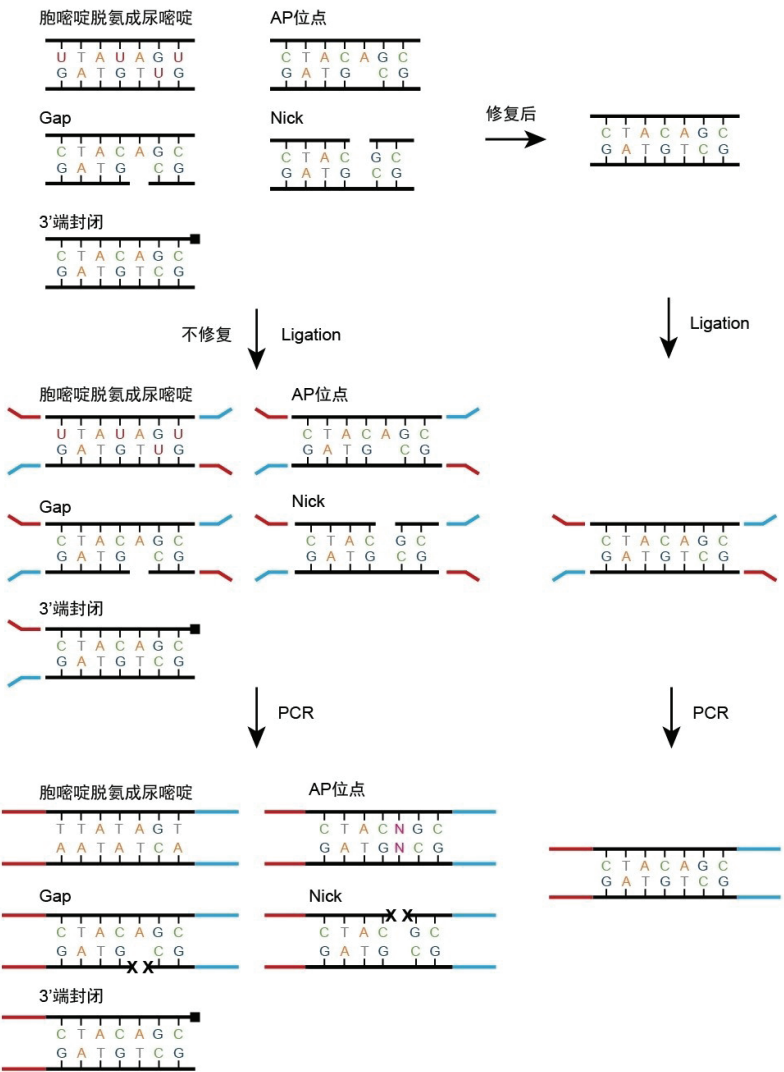
使用下面的图表，选择最适合 DNA 文库制备的产品

基因组重建库	转座酶法	TruePrep® DNA Library Prep Kit for MGI	TDM501-TDM503
		TruePrep® Flexible DNA Library Prep Kit for MGI	TDM504
	机械打断法	VAHTS® Universal DNA Library Prep Kit for MGI	NDM607
		VAHTS® Universal Pro DNA Library Prep Kit for MGI	NDM608
	酶切片段化法	VAHTS® Universal Plus DNA Library Prep Kit for MGI	NDM617
		VAHTS® Universal Plus DNA Library Prep Kit for MGI V2	NDM627
FFPE DNA 建库		VAHTS® Universal Pro DNA Library Prep Kit for MGI	NDM608
cfDNA 建库		VAHTS® Universal DNA Library Prep Kit for MGI	NDM607
ChIP-seq		VAHTS® Universal DNA Library Prep Kit for MGI	NDM607
目标区域捕获		VAHTS® Universal DNA Library Prep Kit for MGI	NDM607
		VAHTS® Universal Plus DNA Library Prep Kit for MGI	NDM617
		VAHTS® Universal Plus DNA Library Prep Kit for MGI V2	NDM627
		VAHTS® Universal Pro DNA Library Prep Kit for MGI	NDM608
16S/ITS-seq		VAHTS® Universal DNA Library Prep Kit for MGI	NDM607



FFPE 样本 DNA 建库实验方案

VAHTS® Universal Pro DNA Library Prep Kit for MGI (Vazyme #NDM608) 是包含 FFPE DNA 修复模块的 MGI 高通量测序平台文库构建试剂盒, 可将 100 pg - 1 µg Input DNA 转换成华大平台专用文库。本试剂盒包含 DNA 损伤修复模块, 能够有效修复福尔马林固定石蜡包埋 (FFPE) 导致的 DNA 损伤, 如胞嘧啶脱氨、切刻和缺口、碱基氧化、3' 端封闭等, 同时兼容普通 DNA 样本, 不影响正常 DNA 样本文库质量。通过对末端修复模块、连接模块和文库扩增模块的整体改进, 使文库转化率和扩增文库产出大幅提升, 广泛适用于多种样本的 PCR 或 PCR-Free 文库构建, 且兼容靶向捕获流程。试剂盒中提供的所有试剂都经过了严格的质量控制和功能验证, 较大程度上保证了文库构建的稳定性和重复性。



DNA 损伤不修复和修复后建库示意图



FFPE DNA 建库试剂盒 (MGI)

特别推荐

VAHTS® Universal Pro DNA Library Prep Kit for MGI (NDM608)

【产品特点】

高效修复碱基损伤

有效修复碱基损伤、切刻、缺口和 3' 端封闭等问题

优异的文库构建效率

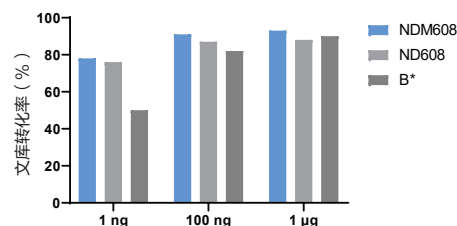
文库转化率和文库扩增效率均有显著提升

优秀的下机数据

具有较高的捕获效率及 SNP 检出效率

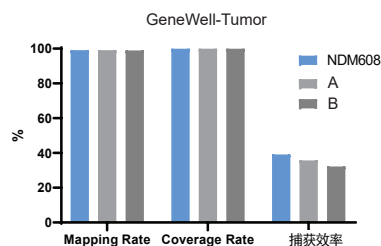
【测试数据】

1. 高效的文库转化率



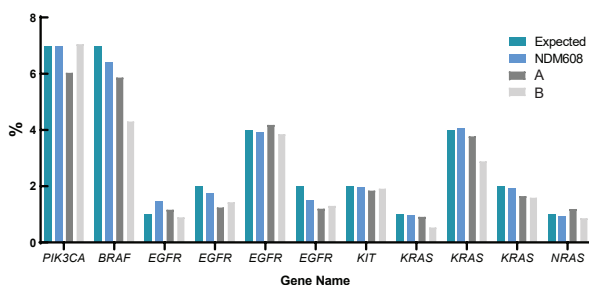
Vazyme #NDM608 在不同的起始量下的文库转化率均在 70% 以上，转化效率优异。

2. 高质量的测序数据



以 20 ng GeneWell-Tumor (泛肿瘤 800 标准品) 为模板，使用 Vazyme #NDM608 和 NCC 肿瘤诊断 panel 进行杂交捕获文库构建，后期使用 MGISEQ-2000 平台进行 PE100 测序。结果显示，Vazyme #NDM608 数据质量优异。

3. 较高的突变检出率



以 20 ng GeneWell-Tumor (泛肿瘤 800 标准品) 为模板，使用 Vazyme #NDM608 和 NCC 肿瘤诊断 panel 进行杂交捕获文库构建，后期使用 MGISEQ-2000 平台进行 PE100 测序。结果显示，Vazyme #NDM608 突变检出率更接近参考值 (图中 "Expected" 所示)，检出效率优于 A 公司和 B 公司同类产品。



华大平台环化模块

特别推荐

VAHTS® Circularization Kit for MGI (NM201)

【产品特点】

快速

环化耗时低至 70 min

高效

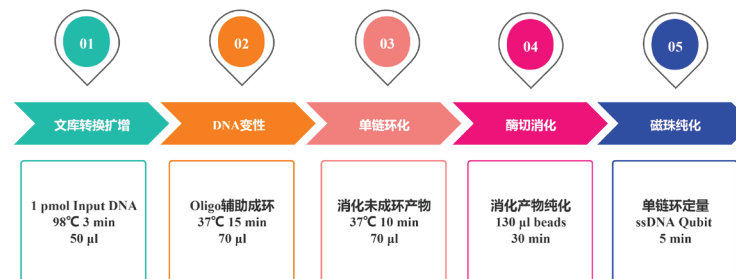
最高环化效率可达 60%

兼容性广

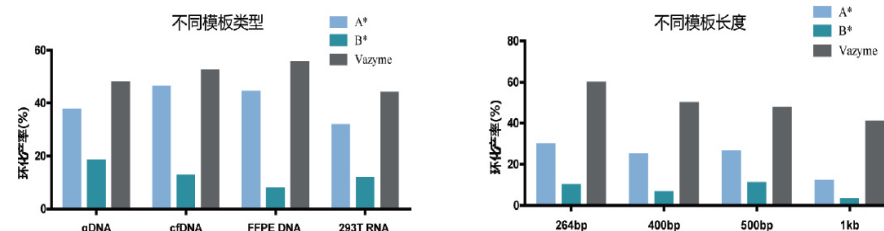
兼容不同的建库方法、文库投入量和模板类型

【测试数据】

1. 快速

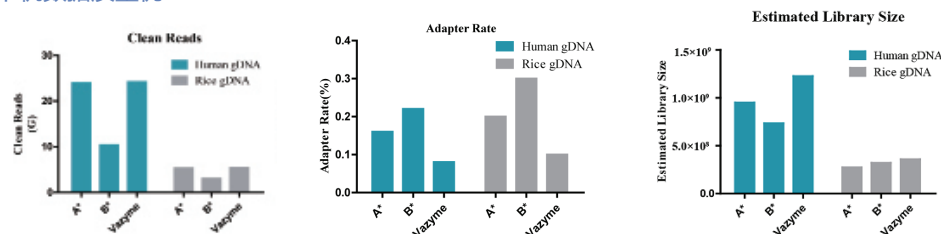


2. 环化率高，兼容性广



将 Vazyme #NM201 与 A* 公司、B* 公司同类产品进行环化实验对比，结果表明，在环化产率上，Vazyme #NM201 显著优于 A* 公司和 B* 公司，并且 Vazyme #NM201 对文库模板类型、模板长度都有良好的兼容性。

3. 下机数据质量优

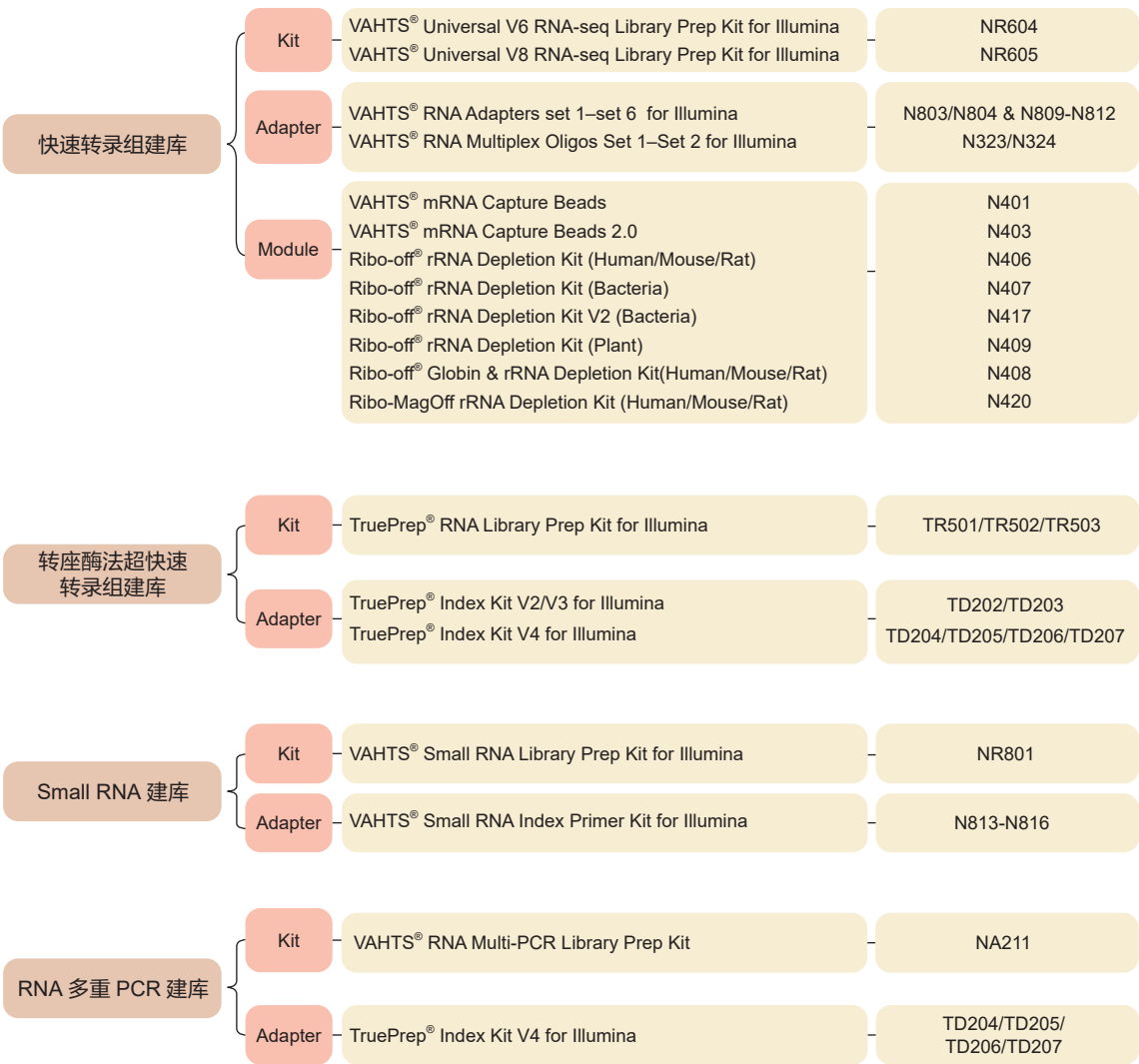


下机数据质量方面，Vazyme #NM201 的 Clean reads 和 Adapter Rate 均优于 A* 和 B* 公司同类产品，且数据分析显示，Vazyme #NM201 的 Estimated Library Size 更大。



RNA 建库试剂盒 (适用于 Illumina 平台)

使用下面的图表，选择最适合 RNA 文库制备的产品

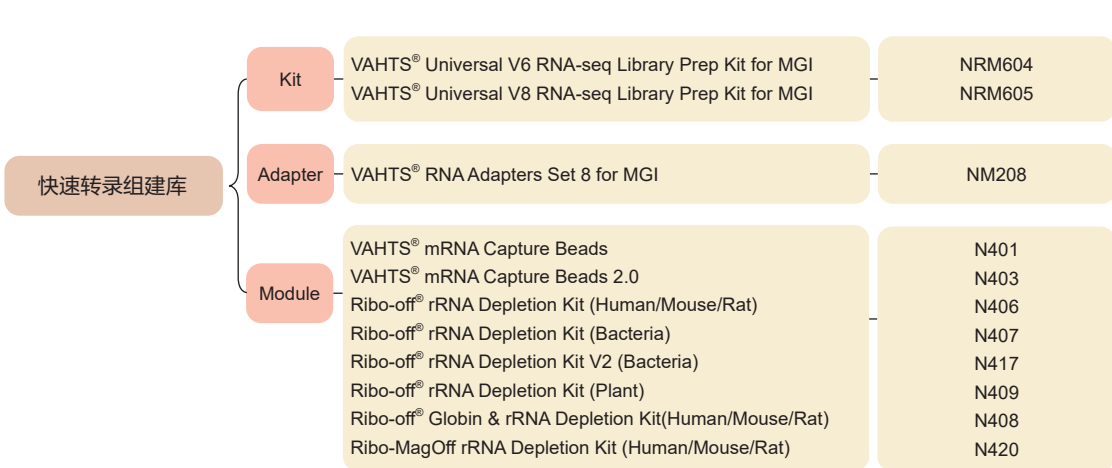


RNA 建库系列产品



RNA 建库试剂盒 (适用于 MGI 平台)

使用下面的图表，选择最适合 RNA 文库制备的产品

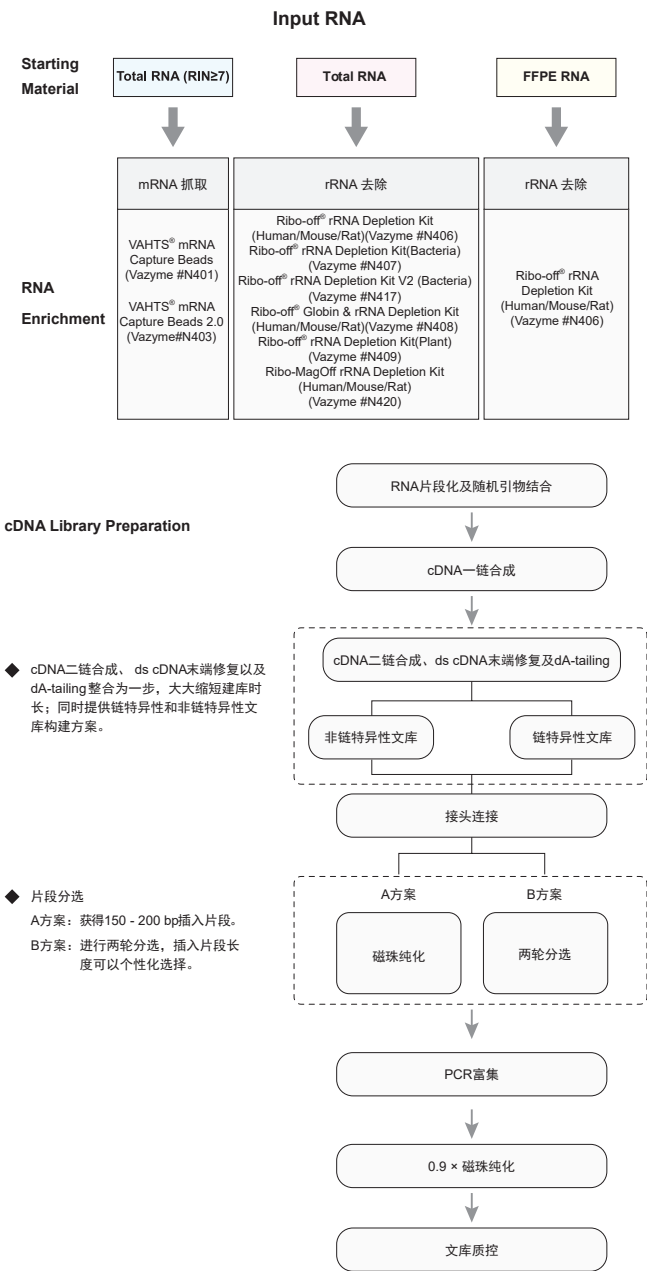


RNA 建库系列产品



快速转录组建库实验方案

VAHTS® Universal V8 RNA-seq Library Prep Kit for Illumina (Vazyme #NR605) 是最新升级的针对 Illumina 高通量测序平台定向开发的转录组文库构建专用试剂盒。本试剂盒将二链合成、末端修复和 dA-Tailing 合并为一步，中间不需要纯化步骤，极大地简化了操作流程、缩短了建库时间。同时，可选择进行普通转录组或链特异性转录组文库构建。



VAHTS® Universal V8 RNA-seq Library Prep Kit for Illumina (Vazyme #NR605) 建库原理图



快速转录组建库试剂盒

特别推荐

VAHTS® Universal V8 RNA-seq Library Prep Kit for Illumina (NR605)

【产品特点】

快速

简单的操作流程，使得转录组建库时间缩短至 3 h

兼容

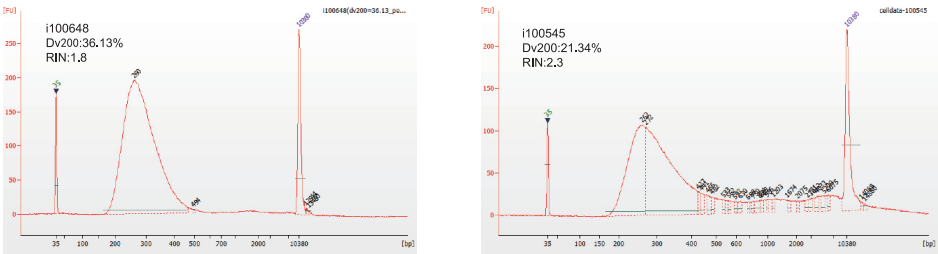
针对低起始量以及降解样本，有更高的建库成功率

高质

优异的测序数据质量，使得转录本区域的覆盖度更加均一

【测试结果】

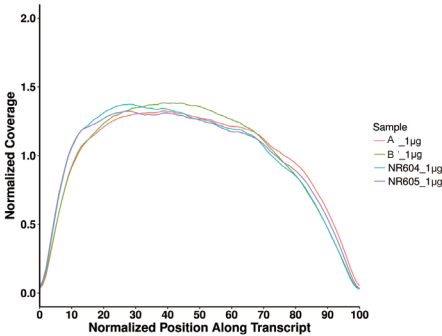
1. 针对降解样本，具有更高的建库成功率



低质量 FFPE 样本下 Vazyme #NR605 构建的文库峰型

从不同质量的 FFPE 样本中提取 Total RNA 后，选择 Vazyme #N406（动物 rRNA 去除样本）对 rRNA 进行去除。随后，参照 Vazyme #NR605 的建库流程进行链特异性转录组文库构建。结果显示，针对不同质量的 FFPE 样本，使用 Vazyme #NR605 均能建库成功。

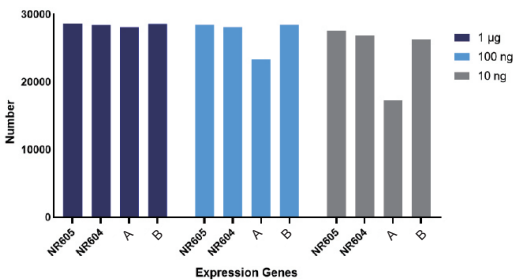
2. 较高的数据均一性



Vazyme #NR605 和其他公司同类产品的数据均一性

测序结果显示，使用不同转录组文库制备产品构建的文库，在测序均一性上具有高度一致性。

3. 较为丰富的基因检出数



Vazyme #NR605 和其他公司同类产品的基因检出数

测序结果显示，针对相同的测序量，使用不同转录组文库制备产品构建的文库，均能得到较为丰富的基因检出数；但对于低起始投入量，Vazyme #NR605 具有更丰富的基因检出数。



血液样本 Globin RNA 和 rRNA 高效去除试剂盒(人/小鼠/大鼠)

特别推荐

Ribo-off® Globin & rRNA Depletion Kit(Human/Mouse/Rat) (N408)

【产品特点】

兼容

低起始量和低质量样本高效去除效率

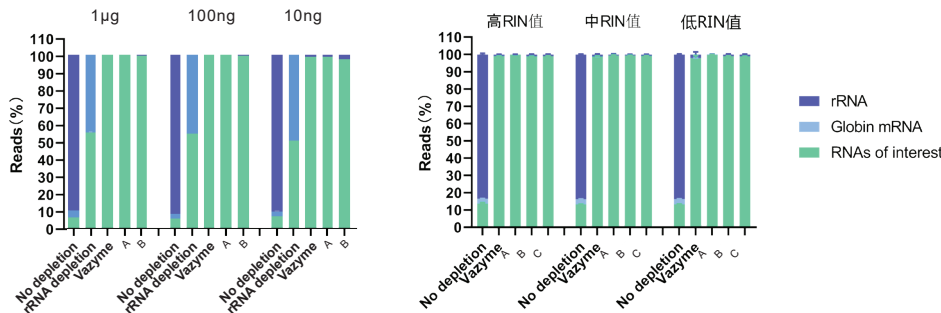
高质

丰富基因检出数

【测试结果】

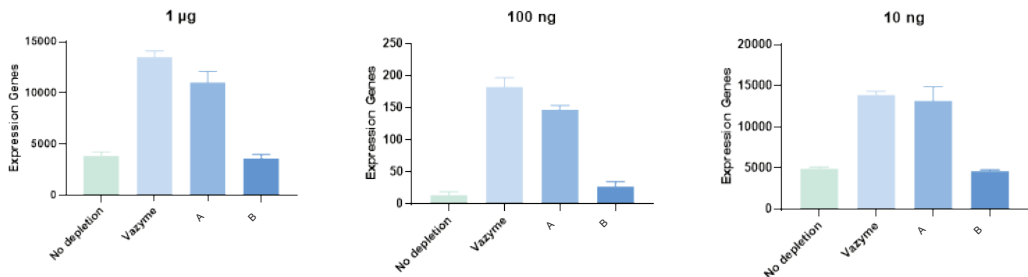
1. 兼容低起始量、低质量样本

以血液 Total RNA 为起始模板，对不同投入量样本和不同 RIN 值样本，使用 Vazyme #N408 进行 rRNA 和 Globin mRNA 去除，随后均使用 VAHTS® Universal V8 RNA-seq Library Prep Kit for Illumina (Vazyme #NR605) 进行转录组文库构建，对去除产物进行建库测序得到高质量 Clean Reads，对比未去除及使用其他公司产品去除后 rRNA 基因和 Globin mRNA 基因的 Reads 数情况，结果表明低起始量（10 ng）和低 RIN 值样本，Vazyme #N408 均能高效去除目标 RNA。



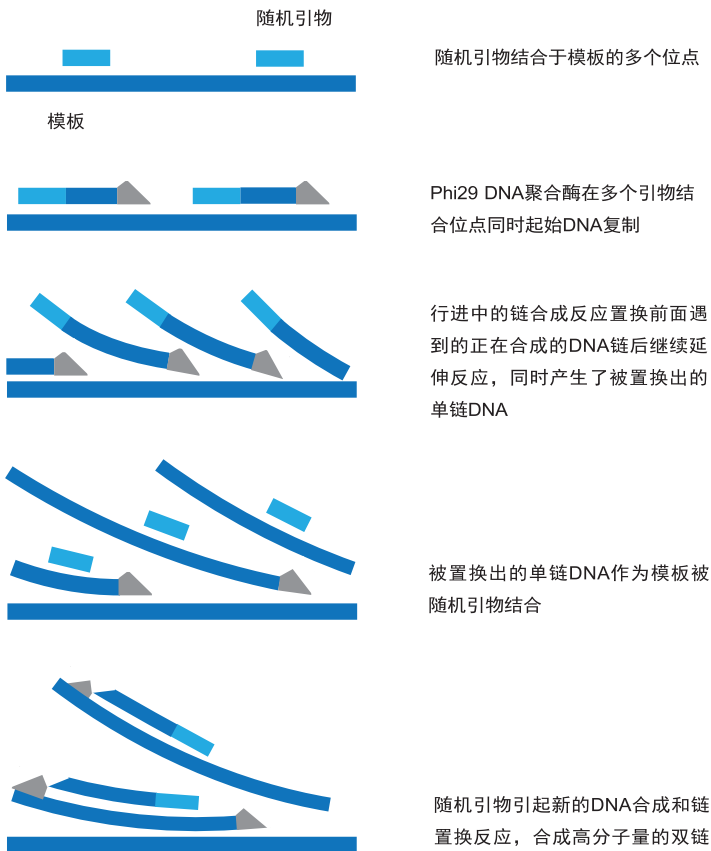
2. 较为丰富的基因检出数

对不同起始量（0.01 - 1µg）的血液样本进行 rRNA 和 Globin mRNA 去除，随后均使用 VAHTS® Universal V8 RNA-seq Library Prep Kit for Illumina (Vazyme #NR605) 进行转录组文库构建。基于 HISAT2 的比对结果，我们利用 stringtie 来完成基因的表达定量分析，统计基因检出数目。结果表明不同起始量（0.01 - 1µg）均能保证了丰富的基因检出数。



单细胞全基因组扩增实验方案

Discover-sc® Single Cell WGA Kit (Vazyme #N603) 使用基于多重链置换扩增（MDA）的 Phi29 等温扩增体系，能够在 2 h 内快速实现 1-1000 个细胞或者微量样本的全基因组无差别扩增。本试剂盒使用的 Phi29 DNA 聚合酶是从噬菌体中克隆的 DNA 聚合酶，具有高保真性和强链置换活性，单次聚合反应产量高，且可以实现长达 100 kb 的连续聚合延伸。单细胞基因组经扩增后可达到 95% 以上的覆盖度，广泛适用于胚胎植入前染色体检测（PGS/PGD），肿瘤干细胞分型，动物基因分型，宏基因组学等研究领域。试剂盒中所有酶和缓冲液都经过了严格的质量控制和功能验证，优化的实验体系最大程度上提升了扩增均一性，助力于得到优质的测序数据。



Phi29 DNA聚合酶介导的MDA示意图



单细胞基因组扩增试剂盒

特别推荐

Discover-sc® Single Cell WGA Kit (N603)

【产品特点】

样本兼容性广

适用于动植物细胞，细菌或者卵裂球，滋养外胚胎层细胞，精子等样本

覆盖度高

单细胞基因组扩增后可达到 95% 以上的覆盖度

均一度高

可用于 >1 Mb 的染色体拷贝数变异分析

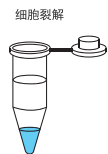
保真度高

Phi29 DNA 聚合酶的保真度是 Taq 酶的 1,000 倍

操作简单

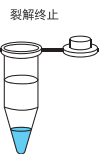
单管反应，操作时间少于 10 min，扩增产物无需纯化

【操作流程】



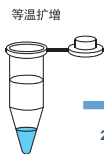
步骤一：细胞裂解

1. 准备细胞裂解混合液
2. 将细胞加至裂解液中
3. 65°C, 10 min 裂解反应



步骤二：裂解终止

加入中性溶液中和上步反应



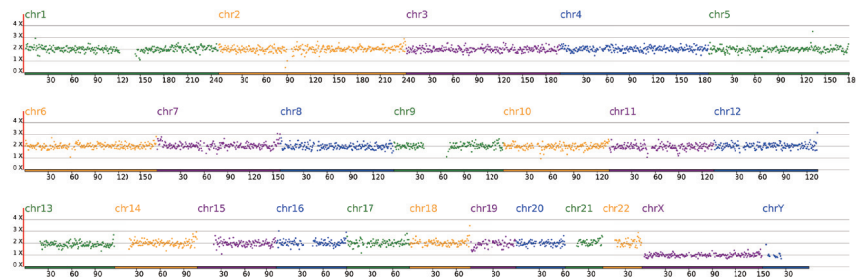
步骤三：MDA 扩增

1. 准备扩增混合液
2. 将扩增混合液加至步骤二的体系中
3. 30°C, 2 h 扩增反应

Analysis

【测试结果】

将少量细胞用 Vazyme #N603 进行单细胞基因组扩增，并构建文库。最后按照有效浓度及 0.01X 的测序深度 Pooling 后进行 Illumina MiniSeq 测序，下机数据结果显示，reads 在基因组各部位分布得比较均匀，表明 Vazyme #N603 扩增均一性很好。



全基因组拷贝数散点分布图

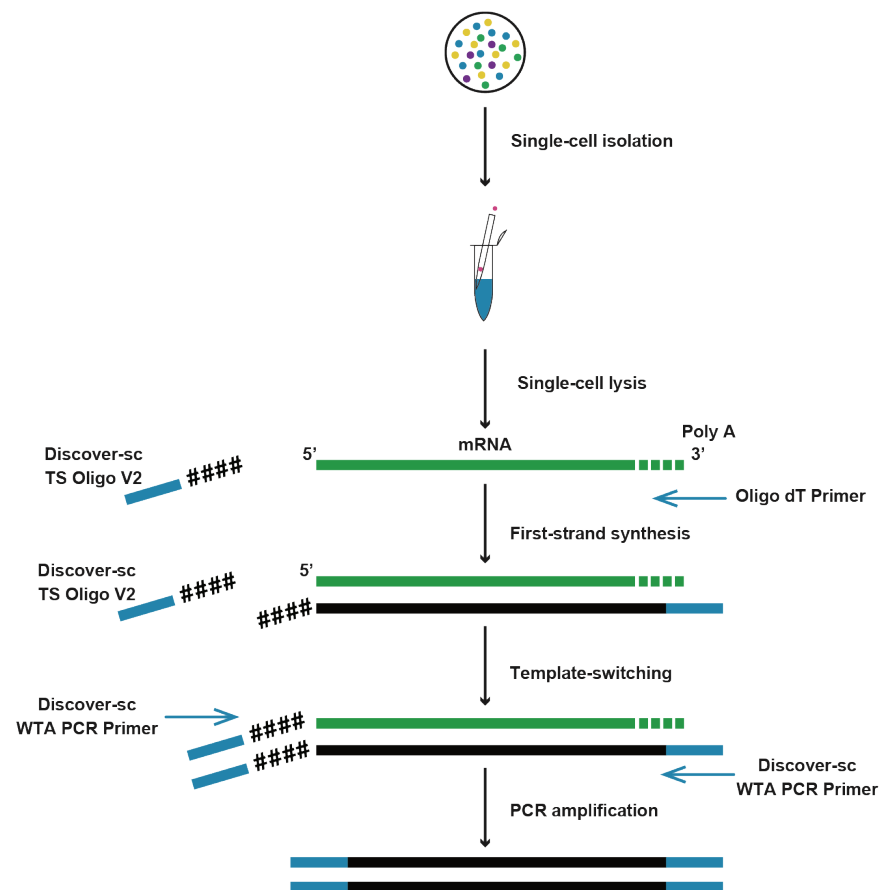


单细胞转录组扩增实验方案

Discover-sc® WTA Kit V2 (Vazyme # N711) 能以 1-1000 个细胞或 10 pg-10 ng 总 RNA 为模板，通过第一链 cDNA 合成及扩增，获取足够的用于序列分析的样本，从而解决了诸如单细胞等微量样本因 RNA 含量过低导致的无法使用常规 mRNA-seq 进行测序分析的技术难题。试剂盒以 Oligo dT Primer 为逆转录引物进行 cDNA 合成，并利用 Discover-sc Reverse Transcriptase 的 Template-switching 活性在 cDNA 的 3' 端添加一段接头序列，通过该接头序列进行后续的 PCR 扩增，获得全长 cDNA 扩增产物，有效避免 cDNA 合成过程中的 3' 偏好性和 rRNA 的污染。

Discover-sc® WTA Kit V2 是在 Discover-sc® WTA Kit 基础上开发的升级版本，其检测灵敏度、体积兼容性均得到了大幅度提升，更加适合低丰度基因及低浓度模板的检测。

【实验原理】



Template-Switching 介导的全长 cDNA 合成示意图



单细胞转录组扩增试剂盒

特别推荐

Discover-sc® WTA Kit V2(N711)

【产品特点】

模板起始量低

单个细胞或 10 pg Total RNA 即可作为起始模板，进行高效扩增。

扩增灵敏度高

使用 LNA 技术及精心优化的反应体系，大幅度增加了低表达基因的检出量。

产物完整性好

通过双端引物扩增全长 cDNA，获得整个 mRNA 信息，避免了 5' 和 3' 偏好性。

操作成功率高

在单管中进行操作，大大减少了 RNA 样品的处理，最大限度避免了样品损失的风险，提高了操作成功率。

体积兼容性广

样品兼容体积高达 5 µl，能够兼容不同浓度的模板进行扩增。

【测试结果】

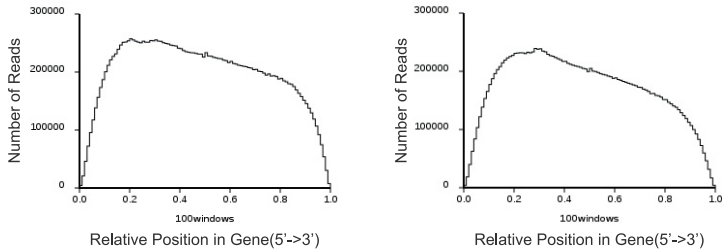
1. 更高的基因检出率

Vazyme-1 和 Vazyme-2 是单个 293T 细胞经 Discover-sc® WTA Kit V2 扩增，C-1 和 C-2 是单个 293T 细胞经 C 公司单细胞转录组试剂盒扩增，取 1 ng cDNA 扩增产物经 TruePrep® DNA Library Prep Kit V2 for Illumina 构建文库。

Samples	Expression Genes	Mapped to genome	Mapped to rRNA	Mapped to exon	Mapped to intron	Mapped to intergenic
Vazyme-1	14807	88.4%	1.24%	86.1%	10.5%	3.46%
Vazyme-1	15138	88.2%	3.06%	86.9%	9.4%	3.72%
C-1	14367	84.6%	1.76%	85.9%	10.3%	3.77%
C-2	15285	84.7%	2.27%	82.0%	13.5%	4.56%

从结果可以看出，Discover-sc® WTA Kit V2 试剂盒扩增产物检测灵敏度高，单个 293T 细胞检测到基因数高达 15000 个。

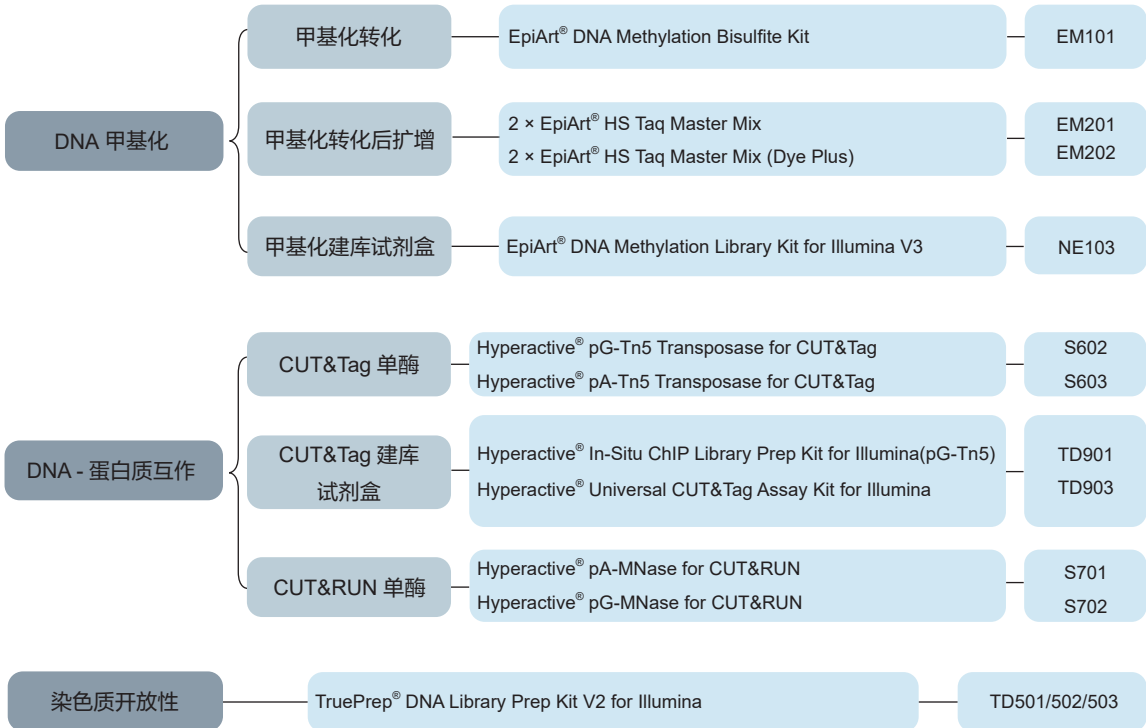
2. 数据分布均一，无偏好性



左图为 Vazyme-1 测序片段在基因上的分布结果，右图为 C-1 测序片段在基因上的分布结果，数据显示 Discover-sc® WTA Kit V2 扩增很好的保证了基因 5' 和 3' 的覆盖。

表观遗传学产品选择

使用下面的图表，选择最适合的表观遗传学产品



表观遗传系列产品

甲基化转化

特别推荐

EpiArt® DNA Methylation Bisulfite Kit (EM101)

【产品特点】

操作时间短

DNA 变性与亚硫酸氢盐转化一步到位，转化反应时间仅需 140 min

转化效率高

可兼容 100 pg-2 µg 基因组 DNA 投入量，回收效率 ≥ 80%，未甲基化的胞嘧啶转化效率 ≥ 99%

兼容范围广

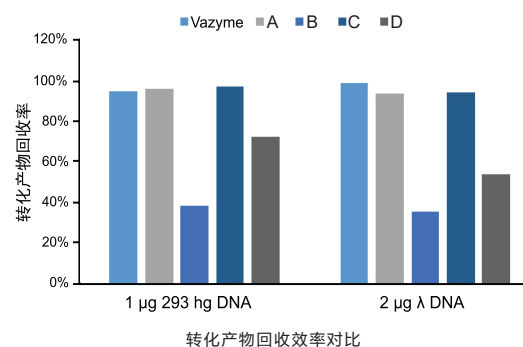
可高效转化从动物、植物、微生物中提取的 DNA、cfDNA 以及纯化的 PCR 产物等

下游应用多

亚硫酸氢盐转化后的 DNA 适用于 PCR 扩增和 NGS 测序等下游应用

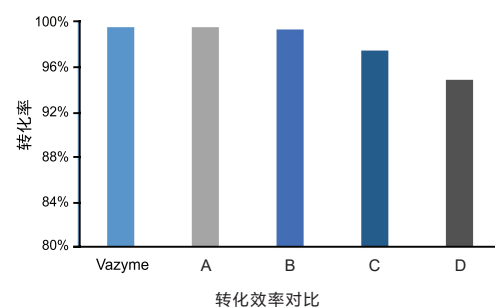
【测试结果】

1. 回收效率高



分别以 1 µg 293 hgDNA 和 2 µg λDNA 为模板，参照各公司甲基化转化流程。EpiArt® DNA Methylation Bisulfite Kit (Vazyme #EM101) 相比于同类产品，回收效率高。

2. 转化效率高



以 2 µg λDNA 为模板，参照各公司甲基化转化流程。EpiArt® DNA Methylation Bisulfite Kit (Vazyme #EM101) 相比于同类产品，转化效率高。

甲基化建库试剂盒

特别推荐

EpiArt® DNA Methylation Library Kit for Illumina V3 (NE103)

【产品特点】

操作便捷

单个样本建库时长仅需 2 h

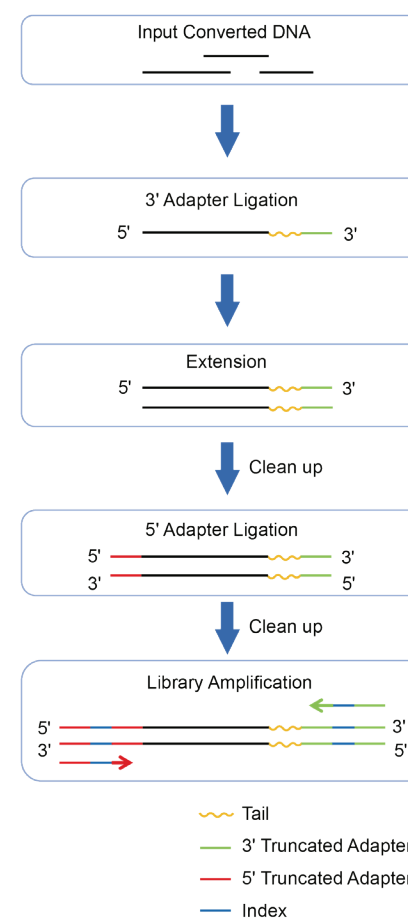
兼容范围广

可兼容 10 pg-250 ng 甲基化转化后产物

数据质量佳

在不同样本类型及投入量条件下均表现出优异的测序数据质量

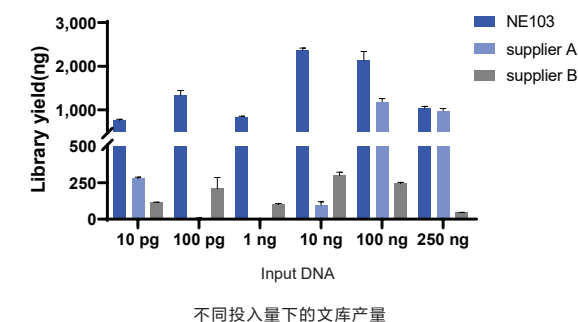
【实验原理】



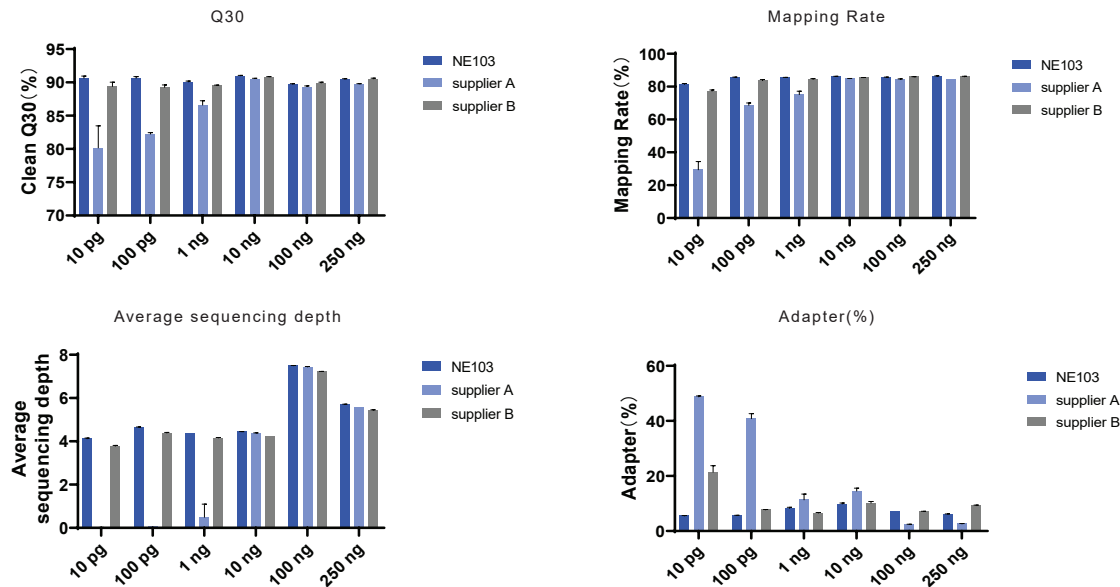
【测试结果】

1. 投入量可兼容 10 pg - 250 ng

以 293 细胞 gDNA 为模板，片段化后使用 Vazyme #EM101 进行甲基化转化，结果表明在不同起始投入量下（10 pg, 100 pg, 1 ng, 10 ng, 100 ng, 250 ng），Vazyme #NE103 均能高效建库，且与 A、B 公司同类产品相比，文库产量更高，下机数据质量更好。

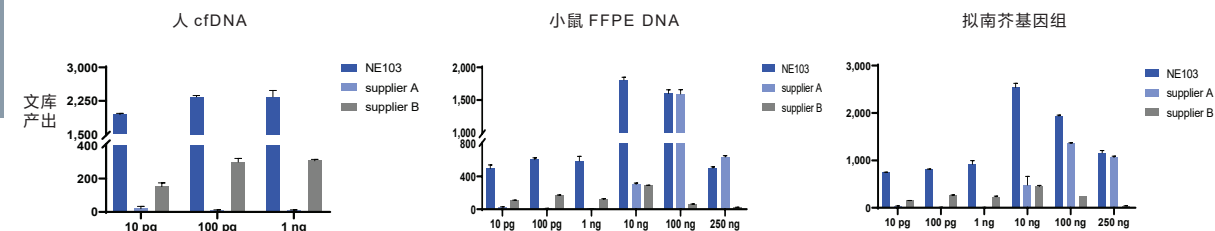


Vazyme #NE103 在测序数据质量上，与 A、B 公司同类产品相比，Mapping Rate、Average sequencing depth、Adapter 等指标均优于竞品。



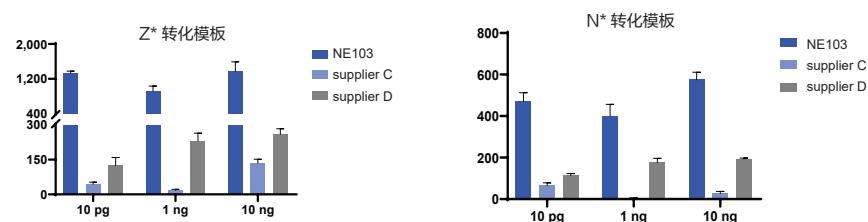
2. 兼容不同模板类型

使用不同模板类型（人 cfDNA、小鼠 FFPE DNA、拟南芥基因组 DNA），片段化后经过 Vazyme #EM101 进行甲基化转化，转化后的产物参照 Vazyme #NE103 及 A、B 公司同类产品的标准建库流程进行文库构建，结果表明，Vazyme #NE103 均能高效建库。



3. 兼容不同转化试剂盒

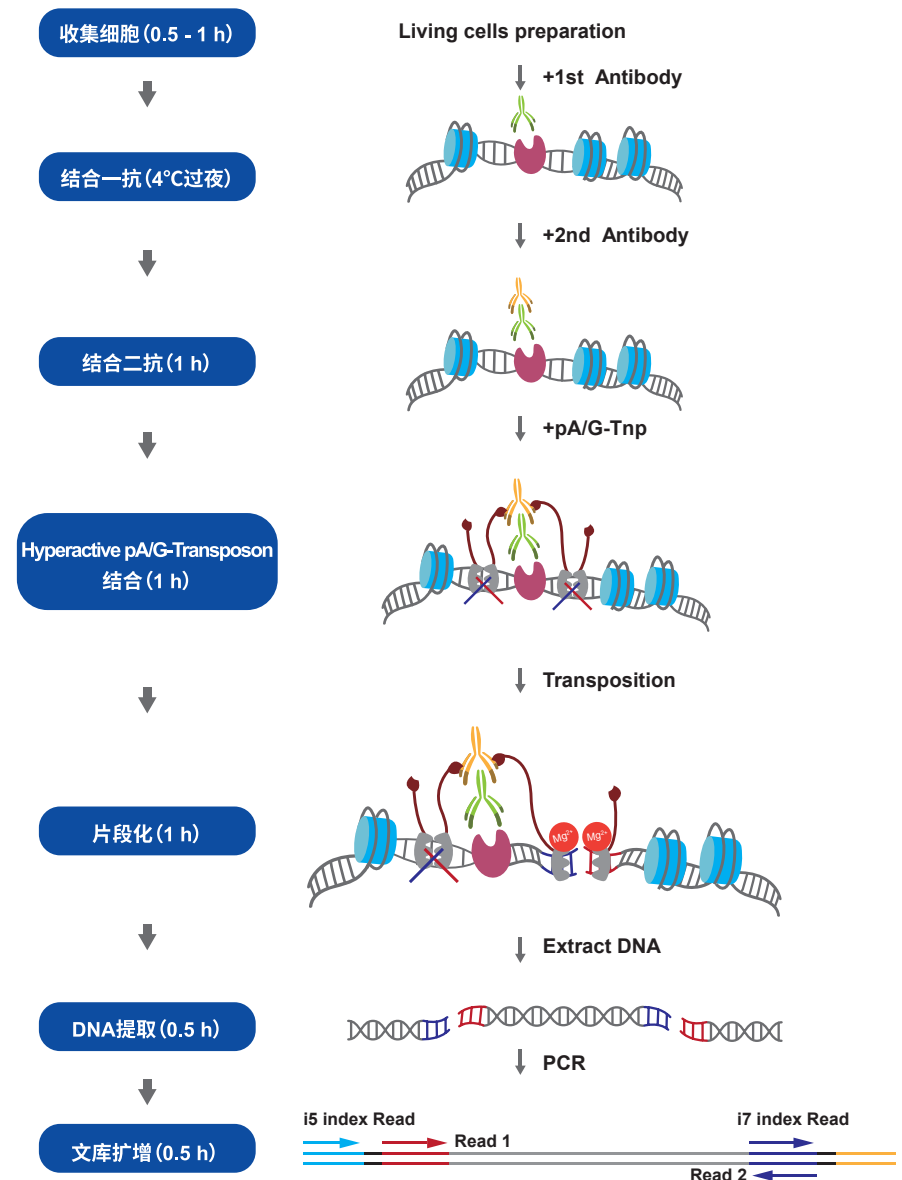
以 293 细胞 gDNA 为模板，片段化后分别经过亚硫酸氢盐转化和酶法转化试剂盒（A、B 公司转化试剂盒）进行甲基化转化，转化后的产物参照 Vazyme #NE103、C、D 公司同类产品的标准建库流程进行文库构建，结果表明，Vazyme #NE103 均能高效建库。



不同转化模板下的文库产量

CUT&Tag—蛋白质 - DNA 互作技术

CUT&Tag (Cleavage Under Target & Tagmentation) 技术是一种研究蛋白质 -DNA 相互作用的新方法。Hyperactive® Universal CUT&Tag Assay Kit for Illumina (Vazyme #TD903) 是针对 Illumina 高通量测序平台定向升级开发的试剂盒，优化了实验反应体系和流程，使用 Protein A/G 融合的转座酶，在抗体引导下精准靶向目的蛋白，并在目的位点附近进行 DNA 的片段化。同时，新增磁珠提取和细胞裂解模块可供选择。



特别推荐

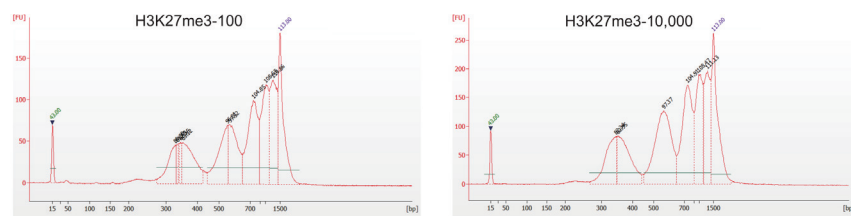
Hyperactive® Universal CUT&Tag Assay Kit for Illumina (TD903)

【产品特点】

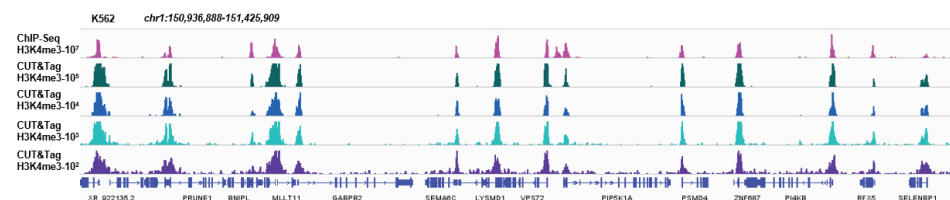
操作简便	全流程优化，磁珠提取安全高效
样本投入量低	技术革新，适用微量样本
抗体兼容性好	转座子升级，抗体亲和力高
测序质量高	扩增模块优化，数据真实可靠
信噪比高	背景远低于 ChIP-Seq，重复性好

【测试结果】

1. 样本投入量低，信噪比高

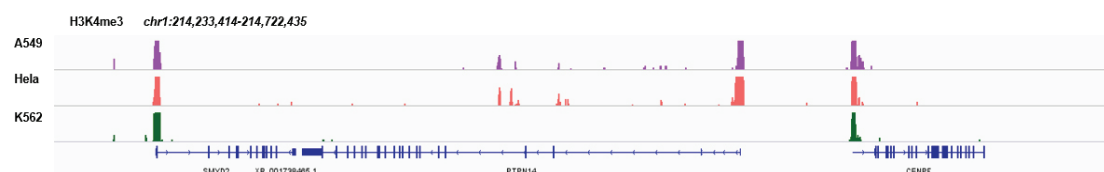


针对不同起始量的 K562 细胞（100、10,000 cells），使用 Vazyme #TD903 进行 H3K27me3 抗体的 CUT&Tag 实验，通过 Agilent 2100 Bioanalyzer 进行文库分布检测。结果显示对于不同细胞投入量（100、10,000 cells），均可构建出相似的 ladder 状的文库，说明 Vazyme #TD903 能够兼容低细胞起始量的实验。

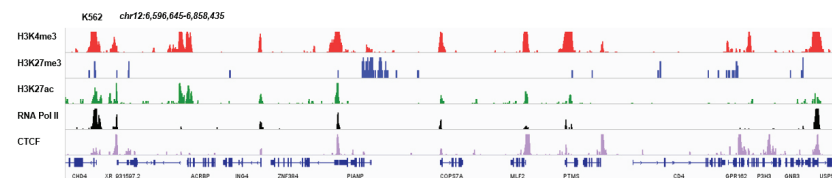


针对不同起始量的 K562 细胞（100、1,000、10,000、100,000 cells），使用 Vazyme #TD903 进行 H3K4me3 抗体的 CUT&Tag 实验。结果显示不同投入量染色体图谱基本一致，100 个细胞即可提供与 ChIP-Seq 结果一致的覆盖图谱。

2. 适用性广



使用 Vazyme #TD903 针对 10,000 个 A549 细胞、HeLa 细胞和 K562 细胞，进行 H3K4me3 抗体的 CUT&Tag 实验。结果显示 Vazyme #TD903 适用于多种细胞系的 DNA- 蛋白质互作研究。



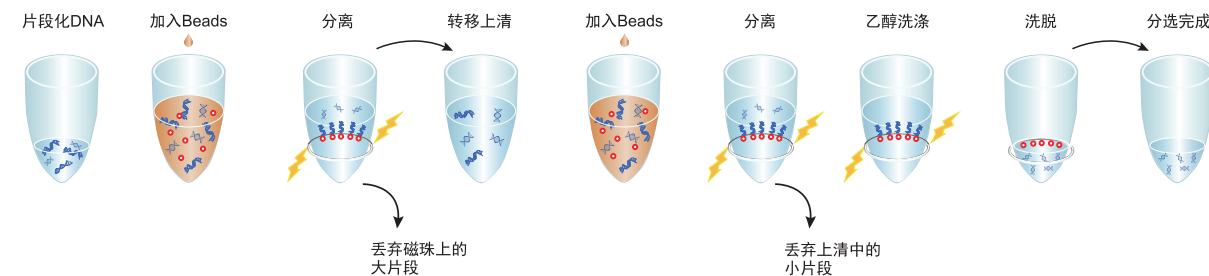
投入 10,000 个 K562 细胞，使用 Vazyme #TD903 分别测试以下不同抗体：H3K4me3、H3K27me3、H3K27ac、RNA Pol II、CTCF。结果显示 Vazyme #TD903 适用于多种靶蛋白的 DNA- 蛋白质互作研究。

磁珠

特别推荐

VAHTS® DNA Clean Beads (N411)

【分选原理】

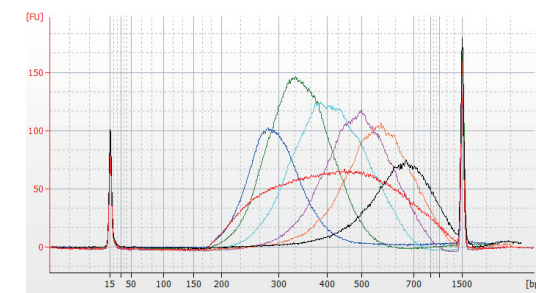
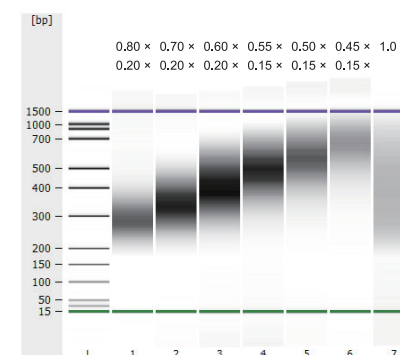


磁珠分选流程

【测试结果】

用 TruePrep® DNA Library Prep Kit V2 for Illumina (Vazyme #TD501) 构建 DNA 文库。文库初始大小为 200-1,500 bp，用 VAHTS DNA Clean Beads 按下表的条件对 PCR 产物进行分选，得到不同大小的文库，用 Agilent 2100 Bioanalyzer 进行分析。

第一轮体积比 (Beads: DNA)	0.80 ×	0.70 ×	0.60 ×	0.55 ×	0.50 ×	0.45 ×	1.0 ×
第二轮体积比 (Beads: DNA)	0.20 ×	0.20 ×	0.20 ×	0.15 ×	0.15 ×	0.15 ×	
文库平均长度 (bp)	300	350	400	500	600	700	200-1,500



定量

特别推荐

Equalbit® 1 × dsDNA HS Assay Kit (EQ121)

【产品特点】

简便易操作

即用型预混液，无需配制工作液，简化操作步骤

灵敏度高

精确定量 0.2 -100 ng dsDNA

特异性强

特异性的检测 dsDNA，对一些常规污染物具有极好的耐受性

染料结合速度快

2 min 内即可达到饱和

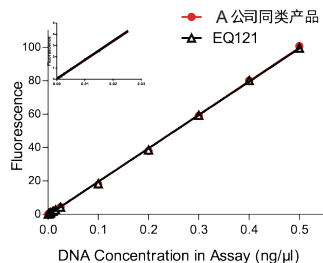
稳定性高

严格控制标准品生产工艺，保证批次间稳定性

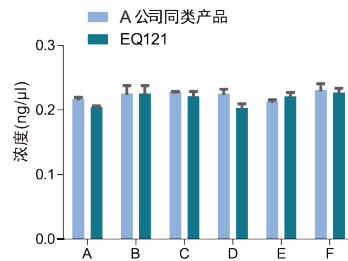
【测试结果】

1. 灵敏度高

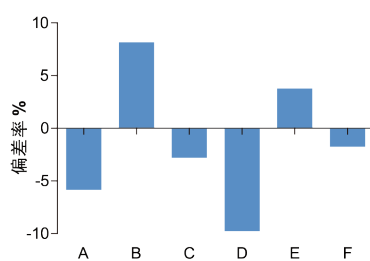
对 12 个不同浓度的 dsDNA 样本，分别使用 Vazyme #EQ121 和 A 公司同类产品进行线性测定，利用 Qubit Fluorometer 3.0 读取荧光值。数据表明 dsDNA 样本总量在 0.2-100 ng 区间内具有良好的线性关系。将 Vazyme #EQ121 的标准品 2 梯度稀释到理论浓度 0.2 ng/μl，6 个实验人员同时进行实验操作，结果显示在接近临界测试点，Vazyme #EQ121 与 A 公司同类产品偏差率 (Vazyme #EQ121 和 A 公司同类产品差值 / A 公司同类产品测量值) 在 10% 以内。



0.2-100 ng线性关系比较

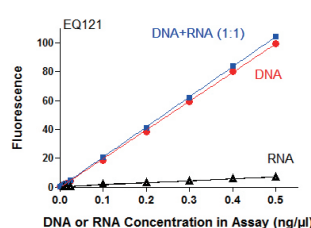
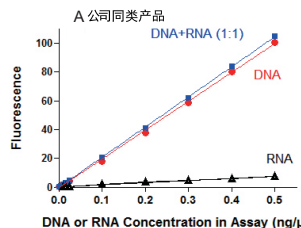


不同操作人员测试低浓度结果图以及偏差率展示
A、B、C、D、E、F代表不同操作人员



2. 特异性强

在线性范围内 (0.2-100 ng dsDNA) 测试 12 个 DNA 样本、等质量的 12 个 RNA 样本、等质量的 12 个 DNA+RNA 混合样本，每个样本分别使用 Vazyme #EQ121 和 A 公司同类产品进行检测，结果显示 Vazyme #EQ121 能特异地结合 dsDNA，即使在有 RNA 存在的情况下，仍能准确定量 dsDNA，且性能与 A 公司同类产品相当。



EQ121与A公司同类产品dsDNA特异性检测图



核酸提取与纯化

微生物 DNA 提取 (去宿主)

特别推荐

FastPure® Host Removal and Microbiome DNA Isolation Kit (DC501)

【产品特点】

快速

宿主核酸清除仅需 43 min，微生物 DNA 提取仅需 23 min

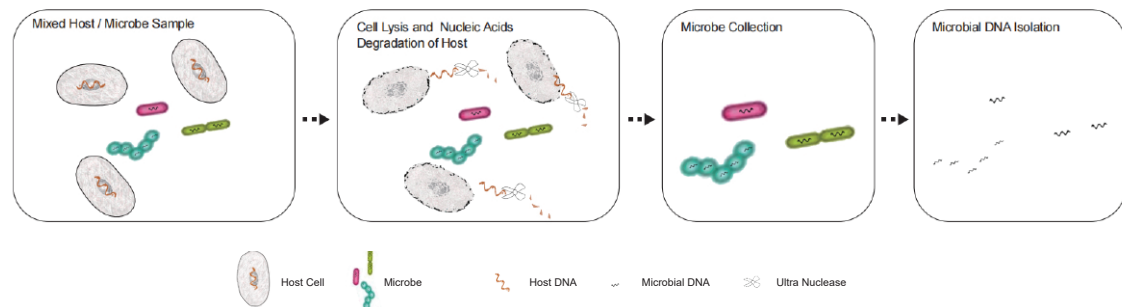
高效

高效清除宿主核酸，提高微生物检出

灵活

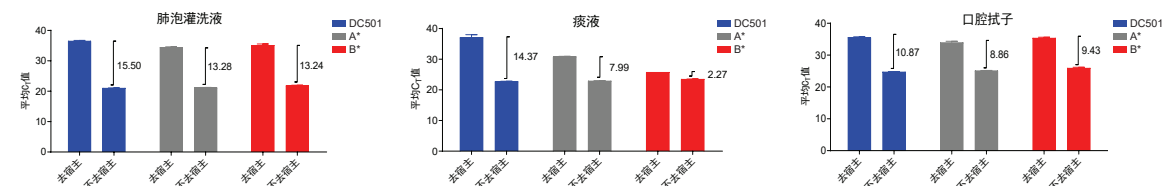
广泛兼容血液、拭子、痰液、肺泡灌洗液、菌液等生物液体样本

【实验原理】



【测试结果】

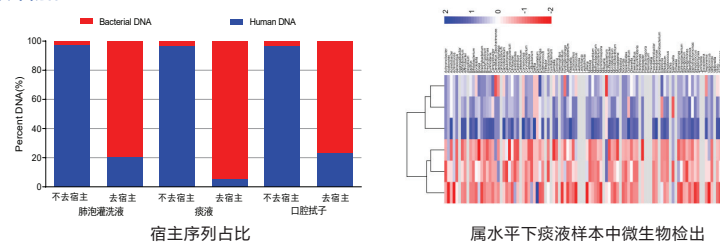
1. 宿主核酸清除效率高



提取产物中宿主基因 qPCR 定量结果

使用 qPCR 法对 Vazyme #DC501、A* 和 B* 公司同类产品提取产物中宿主基因的保守区进行定量，平均 C_t 值越高，表示宿主核酸含量越低。结果表明：Vazyme #DC501 可以有效清除宿主核酸，且清除效率高于 A* 和 B* 公司同类产品。

2. 微生物检出数增加



以 Vazyme #DC501、A* 和 B* 公司同类产品提取产物为模板，使用 Vazyme #ND617 进行文库构建，并使用 Illumina HiSeq X10 平台进行 PE150 测序分析。结果表明：Vazyme #DC501 可以显著降低宿主序列占比，且明显提高微生物检出数。



微生物 DNA 提取（不去宿主）

特别推荐

FastPure® Microbiome DNA Isolation Kit (DC502)

【产品特点】

快速

整个提取流程仅需 23 min，操作简捷

高产

DNA 提取产量高、完整度好，满足下游应用要求

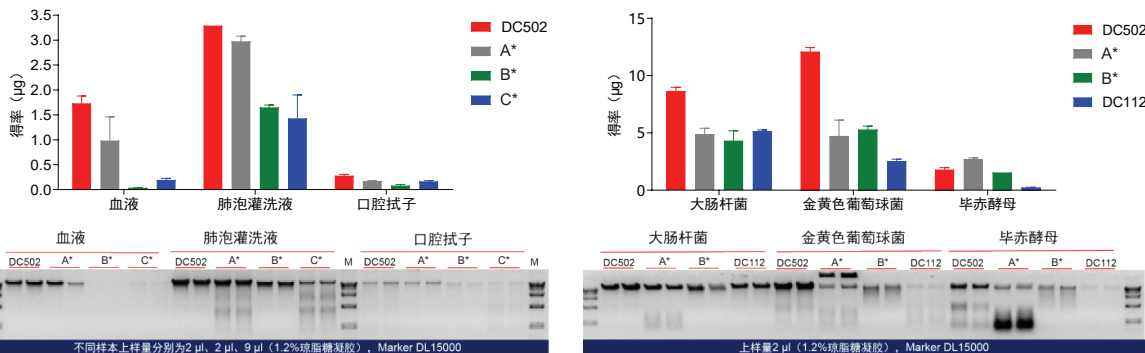
兼容

适用于从临床常见的生物液体和组织样本中提取微生物 DNA

【测试结果】

1.DNA 提取产量高、完整度好

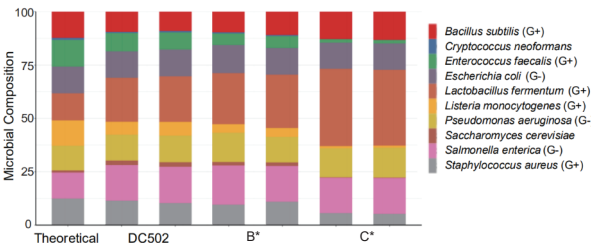
参照 Vazyme #DC502、Vazyme #DC112、A*、B* 和 C* 公司同类产品的实验流程对不同样本进行宿主及微生物总 DNA 提取；使用 Qubit 检测提取产物浓度，并使用琼脂糖凝胶电泳检测 DNA 完整度以及 RNA 残留情况。结果表明：不同样本类型下 Vazyme #DC502 的提取产量高，且提取产物的完整度和 RNA 残留情况优于同类产品。



不同样本类型下提取得率

2. 不同种类微生物 DNA 提取效率高

以 A* 公司微生物标准品（3 种革兰氏阴性菌、5 种革兰氏阳性菌、2 种酵母）为测试样本，参照 Vazyme #DC502、B* 和 C* 公司同类产品的实验流程进行微生物 DNA 提取；使用 Vazyme #ND617 进行文库构建，经质控合格后的文库使用 Illumina HiSeq X10 平台进行 PE150 测序分析。结果表明：Vazyme #DC502 对不同种类微生物（革兰氏阴性菌、革兰氏阳性菌、真菌）DNA 提取效率和 B* 公司同类产品相当，优于 C* 公司同类产品。



提取产物中 10 种菌的相对丰度

备注：Theoretical 为理论上 10 种菌的相对丰度



磁珠法病原微生物 DNA/RNA 共提取（手提）

特别推荐

VAMNE Magnetic Pathogen DNA/RNA Kit (RM601)

【产品特点】

兼容

兼容血液、拭子、痰液、肺泡灌洗液等生物液体样本和菌液样本

快速

单样本提取时长仅需 44 min

高效

高效裂解难破壁微生物，提高微生物检出

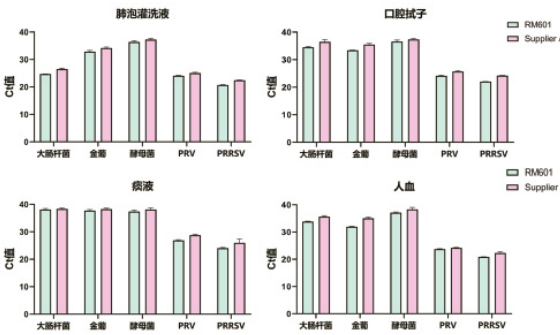
共提取

可同时提取病原微生物的 DNA/RNA

【测试结果】

1. 兼容

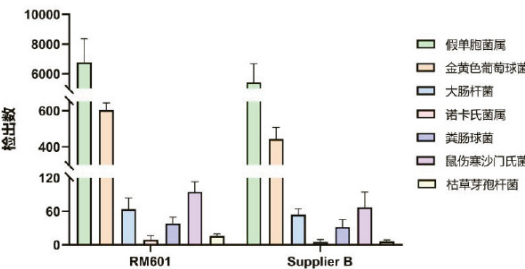
将低起始量的大肠杆菌、金黄色葡萄球菌、毕赤酵母和 PRV(DNA 病毒) 疫苗稀释液、PRRSV (RNA 病毒) 疫苗稀释液添加至肺泡灌洗液、口腔拭子、痰液等样本中，参照 Vazyme #RM601 和 Supplier A 同类产品提取流程进行提取，使用 qPCR 法对提取得到的微生物核酸进行定量，检测的平均 Ct 值越低，表示检出率越高。结果表明：Vazyme #RM601 对不同样本中不同微生物的提取效率优于 Supplier A。



提取产物 qPCR 定量结果

2. 高检出

在 100 µl 人血中掺入 10³ 的大肠杆菌、金黄色葡萄球菌、鼠伤寒沙门氏菌、枯草芽孢杆菌等多种病原微生物，参照 Vazyme #RM601 和 Supplier B 同类产品提取流程进行提取，提取产物使用 Vazyme #ND617 进行文库构建，经质控合格的文库使用 Illumina HiSeq X10 平台进行 PE150 测序。结果表明：Vazyme #RM601 对不同种类病原微生物的提取效率优于 Supplier B 同类产品。



不同病原微生物检出 Reads 数



磁珠法病原微生物 DNA 提取（自动化）

特别推荐

VAMNE Magnetic Pathogen DNA Kit (Prepackaged)(DM202)
VAMNE Magnetic Pathogen DNA Kit (KF Prepackaged)(DM203)

【产品特点】

兼容

兼容血液、拭子、痰液、肺泡灌洗液等生物液体样本和菌液样本

快速

自动化提取时长仅需 46 min

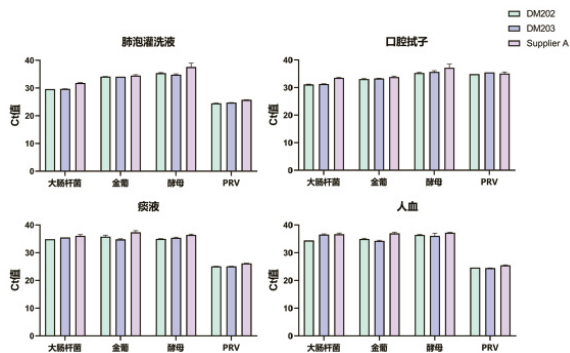
高效

高效裂解难破壁微生物，提高微生物检出

【测试结果】

1. 兼容

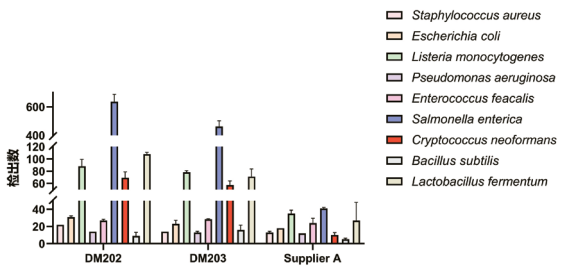
将低起始量的大肠杆菌、金黄色葡萄球菌、毕赤酵母和 PRV(DNA 病毒) 疫苗稀释液、添加至肺泡灌洗液、口腔拭子、痰液等样本中，参照 Vazyme #DM202、Vazyme #DM203、Supplier A 同类产品的实验流程进行微生物 DNA 提取，使用 qPCR 法对提取得到的微生物核酸进行定量，检测的平均 Ct 值越低，表示检出率越高。结果表明：Vazyme #DM202、Vazyme #DM203 对不同样本中不同微生物的提取效率优于 Supplier A。



提取产物 qPCR 定量结果

2. 高检出

在 200 µl 人血样本中掺入 Supplier B 微生物标准品，参照 Vazyme #DM202 和 Vazyme #DM203、Supplier A 同类产品的实验流程进行微生物 DNA 提取；使用 Vazyme #ND617 进行文库构建，经质控合格后的文库使用 Illumina HiSeq X10 平台进行 PE150 测序分析。结果表明：Vazyme #DM202、Vazyme #DM203 对不同种类微生物的提取效率优于 Supplier A 同类产品。



不同病原微生物检出 Reads 数

DNA 建库系列

- 01、Chen B, Du YR, Zhu H,et al. Maternal inheritance of glucose intolerance via oocyte TET3 insufficiency. Nature. 2022 May;605(7911):761-766. IF:69.504 (Vazyme #TD501)
- 02、Wei S, Li X, Lu Z,et al. A transcriptional regulator that boosts grain yields and shortens the growth duration of rice. Science. 2022 Jul 22;377(6604):eabi8455. IF:63.714 (Vazyme #TD501)
- 03、Wang LB, Li ZK, Wang LY,et al. A sustainable mouse karyotype created by programmed chromosome fusion. Science. 2022 Aug 26;377(6609):967-975. IF:63.714 (Vazyme #TD501)
- 04、Zou Z, Zhang C, Wang Q,et al. Translatome and transcriptome co-profiling reveals a role of TPRXs in human zygotic genome activation. Science. 2022 Sep 8:eabo7923. IF:63.714 (Vazyme #TD502) (Vazyme #TD601)
- 05、Li R, Di L, Li J, et al. A body map of somatic mutagenesis in morphologically normal human tissues. Nature. 2021 Aug 25. IF:49.962 (Vazyme #TD501)
- 06、Fu A, Yao B, Dong T, et al. Tumor-resident intracellular microbiota promotes metastatic colonization in breast cancer. Cell. 2022 Apr 14;185(8):1356-1372.e26. IF:41.584 (Vazyme #TD203)
- 07、Shen H, Yang M, Li S,et al. Mouse totipotent stem cells captured and maintained through spliceosomal repression.Cell. 2021 May 27;184(11):2843-2859.e20. IF:41.582 (Vazyme #TD501) (Vazyme #TD204)
- 08、Fei L, Chen H, Ma L,et al. Systematic identification of cell-fate regulatory programs using a single-cell atlas of mouse development. Nat Genet. 2022 Jul;54(7):1051-1061. IF:41.307 (Vazyme #NM201)
- 09、Tan T, Wu J, Si C, et al.Chimeric contribution of human extended pluripotent stem cells to monkey embryos ex vivo. Cell. 2021 Apr 15;184(8):2020-2032.e14. IF:38.64 (Vazyme #TD501)
- 10、Liu Y, Zhang Q, Xing B,et al. Immune phenotypic linkage between colorectal cancer and liver metastasis. Cancer Cell. 2022 Apr 11;40(4):424-437.e5. IF:38.585 (Vazyme #TD503)
- 11、Niu L, Shen W, Shi Z, et al. Three-dimensional folding dynamics of the Xenopus tropicalis genome. Nat Genet. 2021 Jul;53(7):1075-1087. IF:38.33 (Vazyme #ND607)
- 12、Yin Y, Yang X, Wu S,et al. Jmjd1c demethylates STAT3 to restrain plasma cell differentiation and rheumatoid arthritis. Nat Immunol. 2022 Aug 22. IF:31.25 (Vazyme #TD202)
- 13、Zhang H, Shao S, Zeng Y, et al. Reversible phase separation of HSF1 is required for an acute transcriptional response during heat shock. Nat Cell Biol. 2022 Mar 7. IF:28.824 (Vazyme #TD202)
- 14、Xiong Z, Xu K, Lin Z,et al. Ultrasensitive Ribo-seq reveals translational landscapes during mammalian oocyte-to-embryo transition and pre-implantation development. Nat Cell Biol. 2022 Jun;24(6):968-980. IF:28.213 (Vazyme #TD502)
- 15、Yang M, Yu H, Yu X,et al. Chemical-induced chromatin remodeling reprograms mouse ESCs to totipotent-like stem cells. Cell Stem Cell. 2022 Feb 2:S1934-5909(22)00010-8. IF:24.633 (Vazyme #TD501)
- 16、You M, Chen L, Zhang D,et al.Single-cell epigenomic landscape of peripheral immune cells reveals establishment of trained immunity in individuals convalescing from COVID-19. Nat Cell Biol. 2021 Jun;23(6):620-630. Epub 2021 Jun 9. PMID: 34108657. IF:20.042 (Vazyme #TD502)
- 17、Xie H, Li W, Hu Y,et al. De novo assembly of human genome at single-cell levels. Nucleic Acids Res. 2022 Jul 22;50(13):7479-7492. IF:19.16 (Vazyme #S601)
- 18、Tan T, Tan Y, Wang Y,et al. Negative supercoils regulate meiotic crossover patterns in budding yeast. Nucleic Acids Res. 2022 Sep 15:gkac786. IF:19.16 (Vazyme #ND607) (Vazyme #N801)
- 19、Hu S, Peng L, Xu C,et al. SPT5 stabilizes RNA polymerase II, orchestrates transcription cycles, and maintains the enhancer landscape. Mol Cell. 2021 Sep 10:S1097-2765(21)00696-1. IF:19.97 (Vazyme #ND607) (Vazyme #N802)

■ 20、Xu W, He C, Kaye EG,et al. Dynamic control of chromatin-associated m6A methylation regulates nascent RNA synthesis. Mol Cell. 2022 Mar 17;82(6):1156-1168.e7. IF:17.97 (Vazyme #ND617)

■ 21、Wang R, Mao Y, Wang W, et al.Systematic evaluation of colorectal cancer organoid system by single-cell RNA-Seq analysis. Genome Biol. 2022 Apr 28;23(1):106. IF:17.906 (Vazyme #TD501)

■ 22、Qin H, Ou L, Gao J, et al. DENA: training an authentic neural network model using Nanopore sequencing data of Arabidopsis transcripts for detection and quantification of N6-methyladenosine on RNA. Genome Biol. 2022 Jan 17;23(1):25. IF:17.906 (Vazyme #N102)

■ 23、Yuan S, Huang T, Bao Z,et al. The histone modification reader ZCWPW1 promotes double-strand break repair by regulating cross-talk of histone modifications and chromatin accessibility at meiotic hotspots. Genome Biol. 2022 Sep 6;23(1):187. IF:17.906 (Vazyme #TD202)

■ 24、Ding Y, Wang W, Ma D, et al. Smarca5-mediated epigenetic programming facilitates fetal HSPC development in vertebrates. Blood. 2021 Jan 14;137(2):190-202. IF:17.794 (Vazyme #TD501) (Vazyme #TD202)

■ 25、Bi Y, Tu Z, Zhou J, et al. Cell fate roadmap of human primed-to-naive transition reveals preimplantation cell lineage signatures. Nat Commun.2022 Jun 7;13(1):3147. IF:14.919 (Vazyme #TD501)

■ 26、Yu S, Zhou C, He J, et al. BMP4 drives primed to naïve transition through PGC-like state. Nat Commun. 2022 May 19;13(1):2756. IF:17.694 (Vazyme #TD501-TD503)

■ 27 Liang C, Ke Q, Liu Z, et al. BMAL1 moonlighting as a gatekeeper for LINE1 repression and cellular senescence in primates. Nucleic Acids Res. 2022 Apr 8;50(6):3323-3347.IF:16.971 (Vazyme #TD501)

■ 28、Huang Y, Shang R, Lu GA, et al. Spatiotemporal Regulation of a Single Adaptively Evolving Trans-Regulatory Element Contributes to Spermatogenetic Expression Divergence in Drosophila. Mol Biol Evol.2022 Jun 10:msac127.IF:16.24 (Vazyme #TD501)

■ 29、Yuan J, Zhu Q, Zhang X,et al. Ezh2 competes with p53 to license lncRNA Neat1 transcription for inflammasome activation. Cell Death Differ. 2022 May 14.IF:15.828 (Vazyme #TD501) (Vazyme #TD202)

■ 30、Gao J, Zhang K, Cheng YJ, et al. A robust mechanism for resetting juvenility during each generation in Arabidopsis. Nat Plants. 2022 Mar;8(3):257-268.IF:15.793 (Vazyme #TD501) (Vazyme #TD202)

RNA 建库系列

■ 01、Xu W, Li J, He C, et al. METTL3 regulates heterochromatin in mouse embryonic stem cells. Nature. 2021 Jan 27. IF:42.77 (Vazyme #N406)

■ 02、Qi Y, Ding L, Zhang S,et al. A plant immune protein enables broad antitumor response by rescuing microRNA deficiency. Cell. 2022 May 26;185(11):1888-1904.e24. IF:41.584 (Vazyme #NR602) (Vazyme #N408)

■ 03、Fei L, Chen H, Ma L,et al. Systematic identification of cell-fate regulatory programs using a single-cell atlas of mouse development. Nat Genet. 2022 Jul;54(7):1051-1061. IF:41.307(Vazyme #N809/N810/N811/N812)

■ 04、Zhang H, Shao S, Zeng Y, et al. Reversible phase separation of HSF1 is required for an acute transcriptional response during heat shock. Nat Cell Biol. 2022 Mar 7. IF:28.824 (Vazyme #NR605)

■ 05、Zhang Z, Chen T, Chen HX, et al.Systematic calibration of epitranscriptomic maps using a synthetic modification-free RNA library. Nat Methods. 2021 Oct;18(10):1213-1222. IF:28.547 (Vazyme #N411)

■ 06、Guo W, Li L, He J, et al. Single-cell transcriptomics identifies a distinct luminal progenitor cell type in distal prostate invagination tips. Nat Genet. 2020 Sep;52(9):908-918. IF:27.6 (Vazyme #NR611)

■ 07、Xu W, He C, Kaye EG,et al. Dynamic control of chromatin-associated m6A methylation regulates nascent RNA synthesis. Mol Cell. 2022 Mar 17;82(6):1156-1168.e7. IF:17.97 (Vazyme #N406)

■ 08、Yu S, Zhou C, He J, et al. BMP4 drives primed to naïve transition through PGC-like state. Nat Commun. 2022 May 19;13(1):2756. IF:17.694 (Vazyme #NR611)

■ 09、Dong X, Guo R, Ji T,et al. YY1 safeguard multidimensional epigenetic landscape associated with extended pluripotency. Nucleic Acids Res. 2022 Apr 15:gkac230. IF:16.971 (Vazyme #NR611)

■ 10、Chen S, Liu X, Peng C, et al.The phytochemical hyperforin triggers thermogenesis in adipose tissue via a Dlat-AMPK signaling axis to curb obesity. Cell Metab. 2021 Mar 2;33(3):565-580.e7. IF:16.083 (Vazyme #NR611)

单细胞系列

■ 01、Hu W, Zeng H, Shi Y,et al. Single-cell transcriptome and translome dual-omics reveals potential mechanisms of human oocyte maturation. Nat Commun. 2022 Aug 30;13(1):5114. IF:17.694 (Vazyme #N712)

■ 02、Huang Y, Shang R, Lu GA, et al. Spatiotemporal Regulation of a Single Adaptively Evolving Trans-Regulatory Element Contributes to Spermatogenetic Expression Divergence in Drosophila. Mol Biol Evol.2022 Jun 10:msac127. IF:16.24 (Vazyme #N711)

表观遗传系列

■ 01、Zou Z, Zhang C, Wang Q,et al. Translome and transcriptome co-profiling reveals a role of TPRXs in human zygotic genome activation. Science. 2022 Sep 8:eabo7923. IF:63.714 (Vazyme #TD901)

■ 02、Li J, Zhang J, Hou W,et al. Metabolic control of histone acetylation for precise and timely regulation of minor ZGA in early mammalian embryos. Cell Discov. 2022 Sep 27;8(1):96. IF:38.079 (Vazyme #TD901)

■ 03、Yin Y, Yang X, Wu S,et al. Jmjd1c demethylates STAT3 to restrain plasma cell differentiation and rheumatoid arthritis. Nat Immunol. 2022 Aug 22. IF:31.25 (Vazyme #TD903)

■ 04、Zhang H, Shao S, Zeng Y, et al. Reversible phase separation of HSF1 is required for an acute transcriptional response during heat shock. Nat Cell Biol. 2022 Mar 7. IF:28.824 (Vazyme #TD901) (Vazyme #TD902)

■ 05、Xiang L, Niu K, Peng Y, et al. DNA G-quadruplex structure participates in regulation of lipid metabolism through acyl-CoA binding protein. Nucleic Acids Res. 2022 Jun 24:gkac527. IF:19.16 (Vazyme #TD903)

■ 06、Xu W, He C, Kaye EG,et al. Dynamic control of chromatin-associated m6A methylation regulates nascent RNA synthesis. Mol Cell. 2022 Mar 17;82(6):1156-1168.e7. IF:17.97 (Vazyme #TD901)

■ 07、Xu W, He C, Kaye EG,et al. Dynamic control of chromatin-associated m6A methylation regulates nascent RNA synthesis. Mol Cell. 2022 Mar 17;82(6):1156-1168.e7. IF:17.97 (Vazyme #TD902)

■ 08、Yuan S, Huang T, Bao Z,et al. The histone modification reader ZCWPW1 promotes double-strand break repair by regulating cross-talk of histone modifications and chromatin accessibility at meiotic hotspots. Genome Biol. 2022 Sep 6;23(1):187. IF:17.906 (Vazyme #TD903)



磁珠系列

■ 01、Hu Y, Yang Y, Tan P, et al. Induction of mouse totipotent stem cells by a defined chemical cocktail. Nature. 2022 Jun 21. IF:69.504 (Vazyme #N411)

■ 02、Yuan, Y., Cheng, S., Bian, G. et al. Efficient exploration of terpenoid biosynthetic gene clusters in filamentous fungi. Nat Catal 5, 277–287 (2022). IF:41.813 (Vazyme #N411)

■ 03、Fei L, Chen H, Ma L,et al. Systematic identification of cell-fate regulatory programs using a single-cell atlas of mouse development. Nat Genet. 2022 Jul;54(7):1051-1061. IF:41.307 (Vazyme #N411)

■ 04、Li J, Zhang J, Hou W,et al. Metabolic control of histone acetylation for precise and timely regulation of minor ZGA in early mammalian embryos. Cell Discov. 2022 Sep 27;8(1):96. IF:38.079 (Vazyme #N411)

■ 05、Yuan S, Huang T, Bao Z,et al. The histone modification reader ZCWPW1 promotes double-strand break repair by regulating cross-talk of histone modifications and chromatin accessibility at meiotic hotspots. Genome Biol. 2022 Sep 6;23(1):187. IF:17.906 (Vazyme #N411)

■ 06、Liu J, Huang T, Chen W,et al. Developmental mRNA m5C landscape and regulatory innovations of massive m5C modification of maternal mRNAs in animals. Nat Commun. 2022 May 5;13(1):2484. IF:17.69 (Vazyme #N411)

■ 07、Ye F, Zhang G, E W,et al. Construction of the axolotl cell landscape using combinatorial hybridization sequencing at single-cell resolution. Nat Commun. 2022 Jul 22;13(1):4228. IF:17.694 (Vazyme #N411)

■ 08、Hu W, Zeng H, Shi Y,et al. Single-cell transcriptome and translome dual-omics reveals potential mechanisms of human oocyte maturation. Nat Commun. 2022 Aug 30;13(1):5114. IF:17.694 (Vazyme #N411)

■ 09、Chen Q, Li Y, Lin C, et al. Expanding the DNA-encoded library toolbox: identifying small molecules targeting RNA. Nucleic Acids Res. 2022 Mar 14:gkac173. IF:16.971 (Vazyme #N412)



定量系列

■ 01、Yu Q, Liu S, Yu L, et al. RNA demethylation increases the yield and biomass of rice and potato plants in field trials. Nat Biotechnol. 2021 Jul 22. IF:54.908 (Vazyme #EQ211)

■ 02、Mo W, Liu B, Zhang H,et al. Landscape of transcription termination in Arabidopsis revealed by single-molecule nascent RNA sequencing. Genome Biol. 2021 Nov 25;22(1):322.IF:13.583 (Vazyme #EQ211)

Vazyme Online

了解更多产品和服务信息，请登录我们的网站 www.vazyme.com



南京诺唯赞生物科技股份有限公司
Nanjing Vazyme Biotech Co., Ltd.

销售咨询: sales@vazyme.com

技术支持: support@vazyme.com

电话: 400-600-9335

地址: 江苏省南京经济技术开发区科创路红枫科技园D2